

新型コロナウイルス感染症（変異株）への対応



厚生労働省 新型コロナウイルス感染症対策推進本部

Ministry of Health, Labour and Welfare

新型コロナウイルス感染症（変異株）のまとめ

一般的にウイルスは増殖や感染を繰り返す中で少しずつ変異していくものであり、新型コロナウイルスも約2週間で一箇所程度の速度で変異していると考えられている。

国立感染症研究所は、こうした変異をリスク分析し、その評価に応じて、変異株を「懸念される変異株（VOC）」と「注目すべき変異株（VOI）」に分類※¹している。

1. 懸念される変異株（Variant of Concern : VOC）

主に感染性や重篤度が増す・ワクチン効果を弱めるなど性質が変化した可能性のある株

- B.1.1.7系統の変異株（アルファ株）※²
- B.1.351系統の変異株（ベータ株）
- P.1系統の変異株（ガンマ株）
- B.1.617.2系統の変異株（デルタ株）

2. 注目すべき変異株（Variant of Interest : VOI）

主に感染性や重篤度・ワクチン効果などに影響を与える可能性が示唆される株

- B.1.617.1系統の変異株（カッパ株）

※¹ 国立感染症研究所では、WHOと同様に、変異株をVOCとVOIに分類している。国内での検出状況等を加味することから、分類は各国によって異なる。※² PANGO系統(pango lineage)は、新型コロナウイルスに関して用いられる国際的な系統分類命名法であり、変異株の呼称として広く用いられている。括弧内の変異株名は、WHOラベルである。

新型コロナウイルスの懸念される変異株（VOC）

PANGO系統 (WHOラベル)	最初の 検出	主な 変異	感染性 (従来株比)	重篤度 (従来株比)	再感染やワクチン 効果 (従来株比)
B.1.1.7系統の変異株 (アルファ株)	2020年9月 英国	N501Y	1.32倍と推定※ (5～7割程度 高い可能性)	1.4倍 (40-64歳 1.66倍) と推定※ (入院・死亡リスクが高い 可能性)	効果に影響がある 証拠なし
B.1.351 系統の変異株 (ベータ株)	2020年5月 南アフリカ	N501Y E484K	5割程度高い 可能性	入院時死亡リスク が高い可能性	効果を弱める 可能性
P.1系統の変異株 (ガンマ株)	2020年11月 ブラジル	N501Y E484K	1.4-2.2倍高い 可能性	入院リスクが高い 可能性	効果を弱める可能性 従来株感染者の再感染 事例の報告あり
B.1.617.2系統 の変異株 (デルタ株)	2020年10月 インド	L452R	高い可能性 (アルファ株の1.5倍 高い可能性)	入院リスクが高い 可能性	ワクチンと抗体医薬の 効果を弱める可能性

※感染性・重篤度は、国立感染症研究所等による日本国内症例の疫学的分析結果に基づくもの。ただし、重篤度について、本結果のみから変異株の重症度について結論づけることは困難。
 ※PANGO系統(PANGO Lineage)は、新型コロナウイルスに関して用いられる国際的な系統分類命名法であり、変異株の呼称として広く用いられている。括弧内の変異株名は、WHOラベルである。

新型コロナウイルスの注目すべき変異株（VOI）

PANGO系統 (WHOラベル)	最初の 検出	主な 変異	概要
B.1.617.1系統の変異株 (カッパ株)	2020年10月 インド	L452R E484Q	<ul style="list-style-type: none">• 感染性の増加と治療薬（抗体医薬）の効果への影響が示唆されている• 引き続き、ゲノムサーベイランスを通じて実態を把握

※件数は暫定値であり、その時点において最新のpango lineageを基に計上しているものであるため、再集計した際に数値が変動する可能性がある。

※PANGO系統(pango lineage)は、新型コロナウイルスに関して用いられる国際的な系統分類命名法であり、変異株の呼称として広く用いられている。括弧内の変異株名は、WHOラベルである。

国内におけるSARS-CoV-2のゲノム解析

累積:65,345 (8/23時点) (+2,484) 括弧内は8/16時点比

都道府県別・空港等検疫の累積：北海道2,362、青森県109、岩手県382、宮城県1,663、秋田県239、山形県290、福島県1,451、茨城県1,992、栃木県1,360、群馬県753、埼玉県3,509、千葉県3,150、東京都865、神奈川県2,557、新潟県904、富山県574、石川県1,149、福井県750、山梨県329、長野県1,205、岐阜県386、静岡県1,170、愛知県660、三重県1,243、滋賀県735、京都府1,498、大阪府2,352、兵庫県7,632、奈良県920、和歌山県1,462、鳥取県371、島根県454、岡山県679、広島県1,796、山口県1,537、徳島県223、香川県520、愛媛県348、高知県391、福岡県6,704、佐賀県599、長崎県649、熊本県1,089、大分県982、宮崎県312、鹿児島県1,361、沖縄県1,930、空港等検疫1,749

国立感染症研究所等における全ゲノム解析により確認されたVOCs, VOIs

(系統のみを特定できたものも含む) (8/23時点) 括弧内は8/16時点比

B.1.1.7系統の変異株 (アルファ株)	: 国内43,100例 (+2,285例)、検疫336例 (+4例)
B.1.351系統の変異株 (ベータ株)	: 国内24例 (+0例)、検疫92例 (+0例)
P.1系統の変異株 (ガンマ株)	: 国内94例 (+0例)、検疫27例 (+1例)
B.1.617.2系統の変異株 (デルタ株)	: 国内11,864例 (+6,250例)、検疫645例 (+86例)
B.1.617.1系統の変異株 (カッパ株)	: 国内7例 (+0例)、検疫19例 (+0例)

※件数は暫定値であり、その時点において最新のpango lineageを基に計上しているものであるため、再集計した際に数値が変動する可能性がある。
※デルタ株にはB.1.617.2系統と同等の変異を有する系統 (AY.1等) が含まれる。

L452R変異株PCR検査の陽性率（機械的な試算）速報値

8/16－ 8/22	新規 陽性者数	合計（①＋②）	①自治体			②民間検査機関		
		陽性率	実施 件数	陽性 者数	陽性率	実施 件数	陽性 者数	陽性率
茨城県	2,144	88 %	509	438	86 %	406	368	91 %
栃木県	1,427	85 %	144	111	77 %	147	136	93 %
群馬県	1,918	95 %	160	153	96 %	395	377	95 %
埼玉県	11,950	94 %	271	247	91 %	4,537	4,261	94 %
千葉県	10,799	89 %	257	251	98 %	2,168	1,914	88 %
東京都	33,130	93 %	273	218	80 %	16,188	15,163	94 %
神奈川県	17,069	92 %	1,420	1,314	93 %	4,617	4,268	92 %
静岡県	3,679	91 %	588	534	91 %	430	393	91 %
京都府	3,205	81 %	913	738	81 %	943	757	80 %
大阪府	14,922	79 %	3,744	2,880	77 %	2,136	1,793	84 %
兵庫県	6,391	86 %	965	818	85 %	939	816	87 %
福岡県	7,195	87 %	446	348	78 %	1,168	1,051	90 %
沖縄県	4,559	86 %	143	70	注49 %	542	516	95 %
全国	157,419	89 %	18,591	15,728	85 %	38,781	35,373	91 %

※1 各報告日時点の集計値を記載しているため、各自治体のホームページ等で公表されている数値と異なる場合がある。※2 速報値のため、今後、精査が必要な数字である。※3 一部の都道府県ではN501Y変異株PCR検査が陰性だった検体に対して、L452R変異株PCR検査を実施。※4 L452R変異があるイブシロン株、C.36系統など他の株を検出する可能性や一部検体を対象に実施したものであり、地域の感染状況の評価には注意が必要。

注 実施件数143件には、判定不能なものが72件が含まれている。判定不能なものを除くと、自治体実施分の陽性率は99%。

L452R変異株PCR検査の実施率・陽性率（機械的な試算）時系列

	7/26－8/1		8/2－8/8		8/9－8/15		8/16－8/22
	実施率	陽性率	実施率	陽性率	実施率	陽性率	陽性率
茨城県	31%	61%	55%	68%	36%	83%	88%
栃木県	48%	66%	55%	79%	38%	75%	85%
群馬県	26%	82%	39%	87%	30%	92%	95%
埼玉県	39%	76%	49%	86%	32%	90%	94%
千葉県	36%	76%	38%	84%	28%	90%	89%
東京都	47%	79%	54%	88%	46%	91%	93%
神奈川県	38%	69%	37%	83%	29%	89%	92%
静岡県	60%	47%	46%	79%	34%	85%	91%
京都府	50%	62%	40%	70%	53%	79%	81%
大阪府	33%	35%	45%	54%	40%	69%	79%
兵庫県	26%	43%	35%	67%	39%	79%	86%
福岡県	28%	62%	24%	76%	23%	84%	87%
沖縄県	15%	62%	24%	83%	12%	91%	86%
全国	41%	67%	45%	79%	37%	85%	89%

※ 新型コロナウイルス感染症の積極的疫学調査における検体提出等について（要請）（令和3年8月19日一部改正厚生労働省健康局結核感染症課長通知）において、感染拡大地域であって、B.1.617.2系統の変異株（デルタ株）の陽性割合が高い（8割程度）自治体については例外的に、40%程度の変異株PCR検査実施率の維持を必須としない

L452R変異株PCR検査の実施状況 (8/16-8/22) 速報値 2021/8/30時点

	都道府県	新規陽性者数	実施件数 ①	陽性者数 ②	陽性率% ②/①
1	北海道	3,568	2,261	1,806	80
2	青森県	462	120	117	98
3	岩手県	270	80	69	86
4	宮城県	1,548	852	794	93
5	秋田県	206	129	118	91
6	山形県	319	109	95	87
7	福島県	686	452	401	89
8	茨城県	2,144	915	806	88
9	栃木県	1,427	291	247	85
10	群馬県	1,918	555	530	95
11	埼玉県	11,950	4,808	4,508	94
12	千葉県	10,799	2,425	2,165	89
13	東京都	33,130	16,461	15,381	93
14	神奈川県	17,069	6,037	5,582	92
15	新潟県	694	289	236	82
16	富山県	777	312	276	88
17	石川県	501	250	223	89
18	福井県	209	154	148	96
19	山梨県	599	111	95	86
20	長野県	863	289	248	86
21	岐阜県	2,031	104	87	84
22	静岡県	3,679	1,018	927	91
23	愛知県	7,980	1,815	1,626	90
24	三重県	2,150	737	703	95

	都道府県	新規陽性者数	実施件数 ①	陽性者数 ②	陽性率% ②/①
25	滋賀県	1,327	531	426	80
26	京都府	3,205	1,856	1,495	81
27	大阪府	14,922	5,880	4,673	79
28	兵庫県	6,391	1,904	1,634	86
29	奈良県	1,131	335	273	81
30	和歌山県	501	415	367	88
31	鳥取県	134	127	95	75
32	島根県	161	164	149	91
33	岡山県	1,637	674	591	88
34	広島県	2,124	489	402	82
35	山口県	590	278	252	91
36	徳島県	281	58	47	81
37	香川県	599	360	247	69
38	愛媛県	555	135	123	91
39	高知県	450	117	88	75
40	福岡県	7,195	1,614	1,399	87
41	佐賀県	905	15	14	93
42	長崎県	592	206	184	89
43	熊本県	1,693	280	241	86
44	大分県	1,228	150	139	93
45	宮崎県	778	193	176	91
46	鹿児島県	1,482	332	312	94
47	沖縄県	4,559	685	586	86
	全国	157,419	57,372	51,101	89%

※1 各報告日時点の集計値を記載しているため、各自治体のホームページ等で公表されている数値と異なる場合がある。※2 速報値のため、今後、精査が必要な数字である。※3 一部の都道府県ではN501Y変異株PCR検査が陰性だった検体に対して、L452R変異株PCR検査を実施。※4 L452R変異があるイブシロン株、C.36系統など他の株を検出する可能性や一部検体を対象に実施したものであり、地域の感染状況の評価には注意が必要。

ゲノム解析実施状況 (7/26-8/22) 速報値

2021/8/26時点

	都道府県	地方衛生 研究所	大学等	医療機関
1	北海道	236	0	0
2	青森県	0	0	0
3	岩手県	43	0	0
4	宮城県	23	67	0
5	秋田県	0	0	0
6	山形県	94	0	0
7	福島県	160	0	0
8	茨城県	261	0	0
9	栃木県	157	0	0
10	群馬県	18	0	0
11	埼玉県	202	0	0
12	千葉県	384	340	0
13	東京都	142	0	0
14	神奈川県	253	0	0
15	新潟県	48	0	0
16	富山県	65	0	0
17	石川県	84	0	0
18	福井県	48	0	0
19	山梨県	0	0	139
20	長野県	0	0	0
21	岐阜県	63	0	0
22	静岡県	93	220	0
23	愛知県	425	0	0
24	三重県	0	0	8

	都道府県	地方衛生 研究所	大学等	医療機関
25	滋賀県	0	0	0
26	京都府	46	295	0
27	大阪府	45	409	90
28	兵庫県	1,195	0	0
29	奈良県	45	0	0
30	和歌山県	8	8	8
31	鳥取県	109	0	0
32	島根県	161	0	0
33	岡山県	166	0	0
34	広島県	152	0	0
35	山口県	155	0	0
36	徳島県	13	0	0
37	香川県	0	0	0
38	愛媛県	46	0	0
39	高知県	54	0	0
40	福岡県	312	0	0
41	佐賀県	0	0	0
42	長崎県	41	0	0
43	熊本県	122	13	0
44	大分県	0	0	0
45	宮崎県	24	0	0
46	鹿児島県	94	0	0
47	沖縄県	151	0	0
	全国	5,738	1,352	245

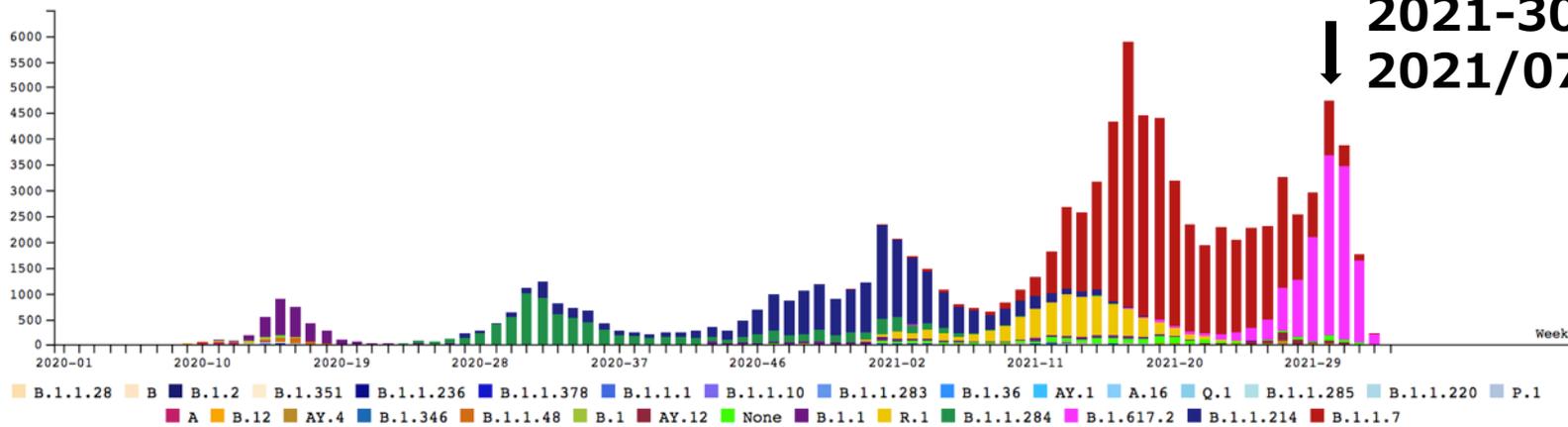
※1 現在、24の都道府県等の地方衛生研究所(※※)においてゲノム解析が可能。(※※北海道、札幌市、福島県、茨城県、栃木県、群馬県、埼玉県、東京都、千葉県、神奈川県、横浜市、川崎市、名古屋市、富山県、兵庫県、神戸市、広島県、鳥取県、島根県、福岡県、長崎県、熊本県、宮崎県、鹿児島県)さらに多くの都道府県等で実施可能となるよう国立感染症研究所からのゲノム機器の22の地方衛生研究所(※※※)への無償供与を行い、技術移転を実施中。(※※※青森県、岩手県、仙台市、山形県、新潟県、宇都宮市、埼玉県、千葉県、石川県、静岡市、福井県、三重県、滋賀県、京都府、奈良県、岡山県、山口県、徳島県、高知県、熊本市、宮崎県、沖縄県 ※2 解析結果が県庁等に届いた時点で調査に申告されているため、対象週以外の数値も含めて報告がされている可能性がある。

変異株スクリーニング検査の実施率・陽性率（機械的な試算）速報値
2021年8月30日時点

	7/26-8/1												8/2-8/8												8/9-8/15												8/16-8/22															
	① 新規感染 者数	② 変異株 PCR検査 実施件数 (⑦+⑧)	③ 自治体実 施件数	④ 民間検査 機関実施 件数	⑤/① 自治体実 施率	⑥/① 民間検査 機関実施 率	⑦ 変異株 PCR検査 陽性者 (⑨+⑩)	⑧ 自治体陽 性者	⑨ 民間検査 機関陽性 者	⑩/⑦ 自治体陽 性率	⑪/⑦ 民間検査 機関陽性 率	⑫/⑦ 変異株 PCR検査 陽性率	⑬ 新規感染 者数	⑭ 変異株 PCR検査 実施件数 (⑰+⑱)	⑮ 自治体実 施件数	⑯ 民間検査 機関実施 件数	⑰/⑬ 自治体実 施率	⑱/⑬ 民間検査 機関実施 率	⑲ 変異株 PCR検査 陽性者 (⑳+㉑)	⑳ 自治体陽 性者	㉑ 民間検査 機関陽性 者	㉒/⑲ 自治体陽 性率	㉓/⑲ 民間検査 機関陽性 率	㉔/⑲ 変異株 PCR検査 陽性率	㉕ 新規感染 者数	㉖ 変異株 PCR検査 実施件数 (㉙+㉚)	㉗ 自治体実 施件数	㉘ 民間検査 機関実施 件数	㉙/㉕ 自治体実 施率	㉚/㉕ 民間検査 機関実施 率	㉛ 変異株 PCR検査 陽性者 (㉜+㉝)	㉜ 自治体陽 性者	㉝ 民間検査 機関陽性 者	㉞/㉛ 自治体陽 性率	㉟/㉛ 民間検査 機関陽性 率	㊱/㉛ 変異株 PCR検査 陽性率	㊲ 新規感染 者数	㊳ 変異株 PCR検査 実施件数 (㊶+㊷)	㊴ 自治体実 施件数	㊵ 民間検査 機関実施 件数	㊶/㊲ 自治体実 施率	㊷/㊲ 民間検査 機関実施 率	㊸ 変異株 PCR検査 陽性者 (㊹+㊺)	㊹ 自治体陽 性者	㊺ 民間検査 機関陽性 者	㊻/㊸ 自治体陽 性率	㊼/㊸ 民間検査 機関陽性 率	㊽/㊸ 変異株 PCR検査 陽性率				
北海道	1,563	1,067	615	452	39	29	511	281	230	46	51	68	48	2,074	1,534	858	676	41	33	862	501	361	53	74	56	2,787	1,797	1,002	795	36	29	1,181	635	546	63	69	64	66	3,568	2,261	1,190	1,071	33	30	1,806	947	859	80	80	63	80	
青森県	96	16	14	2	15	2	6	4	2	29	100	17	38	160	44	26	18	16	11	42	26	16	100	89	28	95	268	114	101	13	38	5	103	91	12	90	92	43	90	462	120	76	44	16	10	117	75	42	99	95	26	98
岩手県	99	19	17	2	17	2	16	15	1	88	50	19	84	155	25	22	3	14	2	17	15	2	68	67	16	68	262	40	39	1	15	0	27	26	1	67	100	15	68	270	80	75	5	28	2	69	65	4	87	80	30	86
宮城県	269	158	148	10	55	4	101	98	3	66	30	59	64	616	284	254	30	41	5	230	207	23	81	77	46	81	1,038	406	378	28	36	3	367	341	26	90	93	39	90	1,548	852	723	129	47	8	794	671	123	93	95	55	93
秋田県	27	22	22	0	81	0	6	6	0	27	-	81	27	66	56	54	2	82	3	44	43	1	80	50	85	79	98	74	70	4	71	4	71	68	3	97	75	76	96	206	129	121	8	59	4	118	110	8	91	100	63	91
山形県	61	25	25	0	41	0	16	16	0	64	-	41	64	206	97	76	21	37	10	69	51	18	67	86	47	71	189	109	98	11	52	6	87	76	11	78	100	58	80	319	109	87	22	27	7	95	74	21	85	95	34	87
福島県	506	235	195	40	39	8	159	138	21	71	53	46	68	649	503	428	75	66	12	368	309	59	72	79	78	73	811	399	363	36	45	4	345	317	28	87	78	49	86	686	452	338	114	49	17	401	297	104	88	91	66	89
茨城県	1,138	352	198	154	17	14	214	122	92	62	60	31	61	1,682	925	553	372	33	22	633	366	267	66	72	55	68	1,858	674	437	237	24	13	558	364	194	83	82	36	83	2,144	915	509	406	24	19	806	438	368	86	91	43	88
栃木県	758	361	276	85	36	11	239	175	64	63	75	48	66	927	507	334	173	36	19	403	252	151	75	87	55	79	1,014	381	269	112	27	11	285	185	100	69	89	38	75	1,427	291	144	147	10	10	247	111	136	77	93	20	85
群馬県	597	157	56	101	9	17	128	42	86	75	85	26	82	969	381	129	252	13	26	331	107	224	83	89	39	87	1,179	351	68	283	6	24	322	63	259	93	92	30	92	1,918	555	160	395	8	21	530	153	377	96	95	29	95
埼玉県	5,565	2,195	130	2,065	2	37	1,664	85	1,579	65	76	39	76	8,284	4,032	198	3,834	2	46	3,461	170	3,291	86	86	49	86	10,350	3,345	199	3,146	2	30	3,013	178	2,835	89	90	32	90	11,950	4,808	271	4,537	2	38	4,508	247	4,261	91	94	40	94
千葉県	4,379	1,556	472	1,084	11	25	1,183	358	825	76	76	36	76	6,470	2,445	551	1,894	9	29	2,057	460	1,597	83	84	38	84	7,539	2,140	405	1,735	5	23	1,929	387	1,542	96	89	28	90	10,799	2,425	257	2,168	2	20	2,165	251	1,914	98	88	22	89
東京都	21,735	10,229	183	10,046	1	46	8,039	113	7,926	62	79	47	79	28,259	15,283	247	15,036	1	53	13,436	169	13,267	68	88	54	88	29,847	13,757	325	13,432	1	45	12,540	240	12,300	74	92	46	91	33,130	16,461	273	16,188	1	49	15,381	218	15,163	80	94	50	93
神奈川県	7,768	2,972	771	2,201	10	28	2,049	540	1,509	70	69	38	69	12,148	4,545	942	3,603	8	30	3,786	771	3,015	82	84	37	83	13,824	3,960	950	3,010	7	22	3,524	835	2,689	88	89	29	89	17,069	6,037	1,420	4,617	8	27	5,582	1,314	4,268	93	92	35	92
新潟県	318	110	106	4	33	1	72	70	2	66	50	35	65	485	224	209	15	43	3	184	172	12	82	80	46	82	611	375	363	12	59	2	338	326	12	90	100	61	90	694	289	278	11	40	2	236	225	11	81	100	42	88
富山県	152	195	194	1	128	1	60	60	0	31	0	128	31	274	177	172	5	63	2	110	106	4	62	80	65	82	378	195	194	1	51	0	160	159	1	82	100	52	82	777	312	301	11	39	1	276	265	11	88	100	40	88
石川県	645	263	243	20	38	3	119	108	11	44	55	41	45	547	296	280	16	51	3	197	182	15	65	94	54	67	531	260	249	11	47	2	201	193	8	78	73	49	77	501	250	245	5	49	1	223	218	5	89	100	50	89
福井県	159	114	68	46	43	29	28	19	9	28	20	72	25	220	164	72	92	33	42	127	45	82	63	89	75	77	163	172	99	73	61	45	144	82	62	83	85	106	84	209	154	87	67	42	32	148	85	63	98	94	74	96
山梨県	189	57	49	8	26	4	25	24	1	49	13	30	44	405	151	129	22	32	5	123	105	18	81	82	37	81	414	150	133	17	32	4	120	109	11	82	65	36	80	599	111	89	22	15	4	95	77	18	87	82	19	86
長野県	196	56	51	5	26	3	44	41	3	80	60	29	79	355	167	142	25	40	7	139	116	23	82	92	47	83	547	198	164	34	30	6	175	144	31	88	91	36	88	863	289	255	34	30	4	248	219	29	86	85	33	86
岐阜県	165	35	25	10	15	6	18	13	5	52	50	21	51	331	51	35	16	11	5	32	23	9	66	56	15	63	747	123	103	20	14	3	83	64	19	62	95	16	67	2,031	104	20	84	1	4	87	16	71	80	85	5	84
静岡県	769	464	399	65	52	8	216	176	40	44	62	60	47	1,280	586	442	144	35	11	464	350	114	79	79	46	79	2,073	697	494	203	24	10	593	428	165	87	81	34	85	3,679	1,018	588	430	16	12	927	534	393	91	91	28	91
愛知県	1,507	350	108	242	7	16	155	57	98	53	40	23	44	2,366	762	369	393	16	17	502	265	237	72	60	32	66	3,679	1,063	617	446	17	12	879	523	356	85	80	29	83	7,980	1,815	795	1,020	10	13	1,626	743	883	93	87	23	90
三重県	222	114	103	11	46	5	80	72	8	70	73	51	70	483	169	131	38	27	8	138	108	30	82	79	35	82	795	407	319	88	40	11	360	285	75	89	85	51	88	2,150	737	596	141	28	7	703	571	132	96	94	34	95
滋賀県	287	89	0	89	0	31	38	0	38	-	4																																									

国内 新型コロナゲノムの PANGO lineage 変遷（2021/08/27 現在）

[Only Domestic] Weekly Top 30 Graph (count each week)

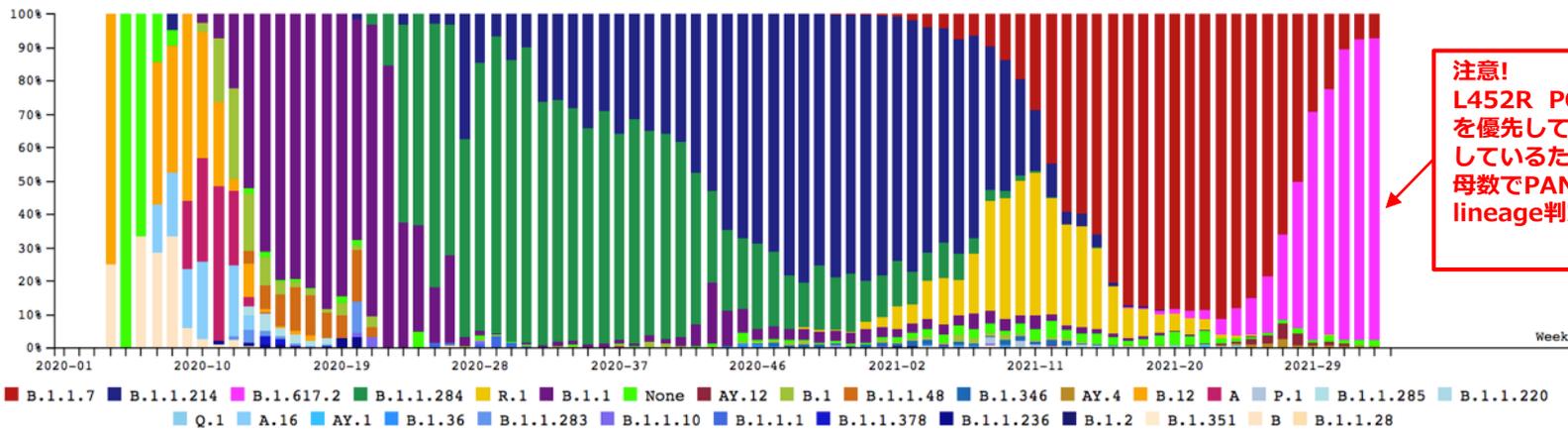


2021-30週
2021/07/26 - 08/01

None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Only Domestic] Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



注意!
L452R PCR陽性検体を優先してゲノム解読しているため、正確な母数でPANGO lineage判定できない。

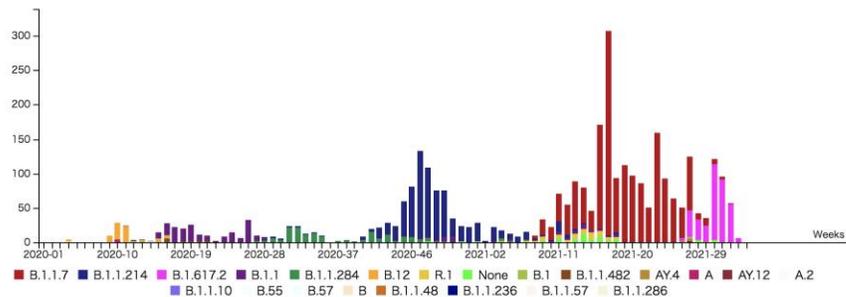
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

2021-30	
B.1.1.7	1066
B.1.1.214	0
B.1.617.2	3492
B.1.1.284	0
R.1	1
B.1.1	0
None	92
AY.12	55
B.1	2
B.1.1.48	0
B.1.346	0
AY.4	32
B.12	0
A	0
P.1	0
B.1.1.220	0
B.1.1.285	0
Q.1	1

北海道

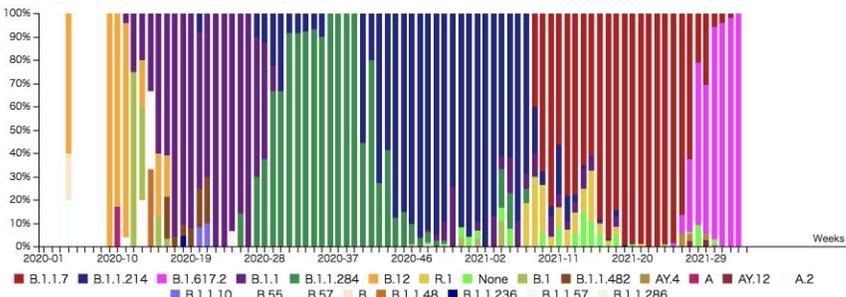
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

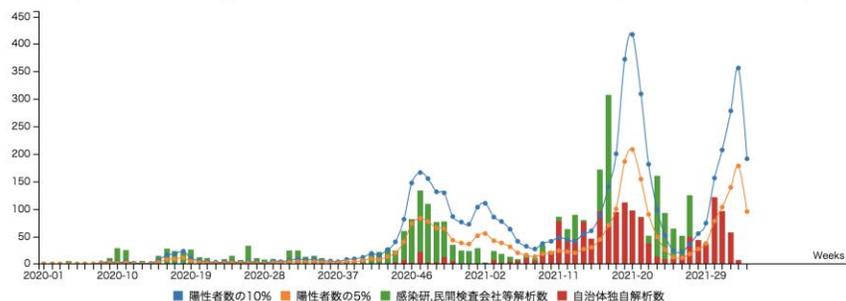
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Hokkaido] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



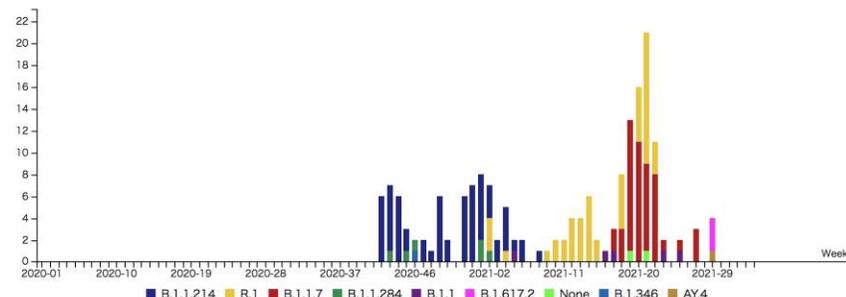
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

青森県

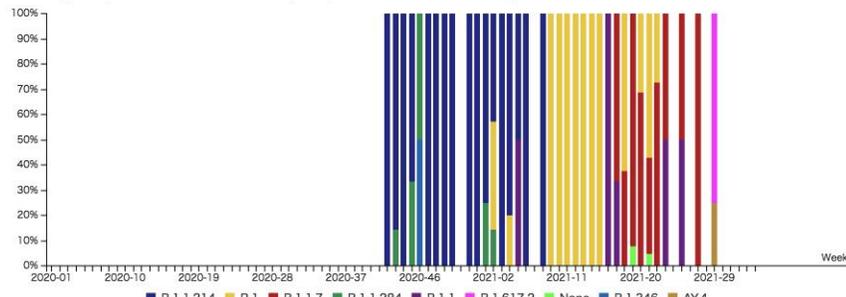
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

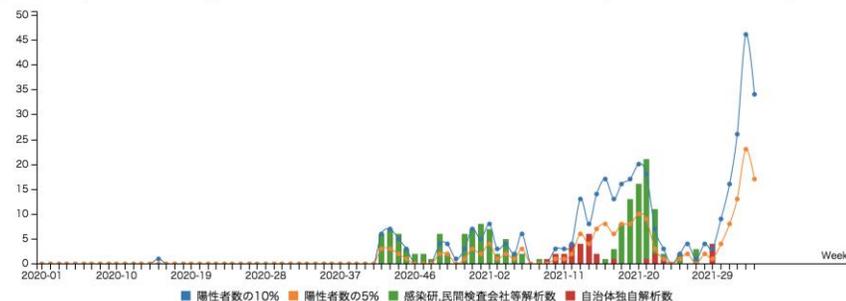
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Aomori] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



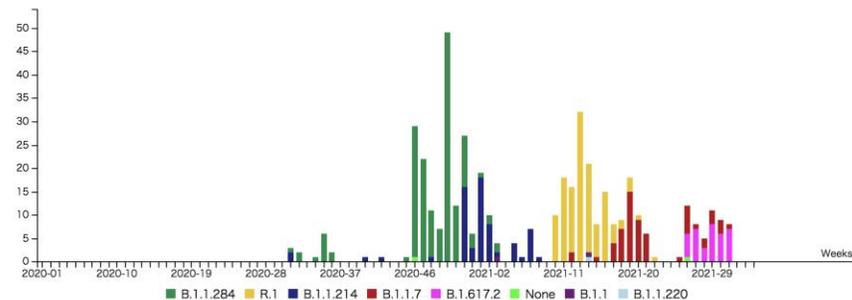
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

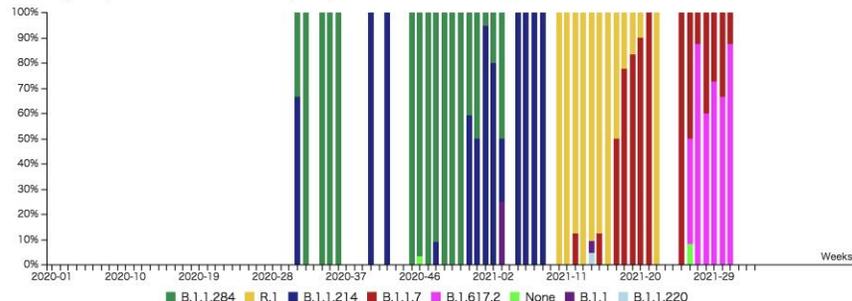
岩手県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



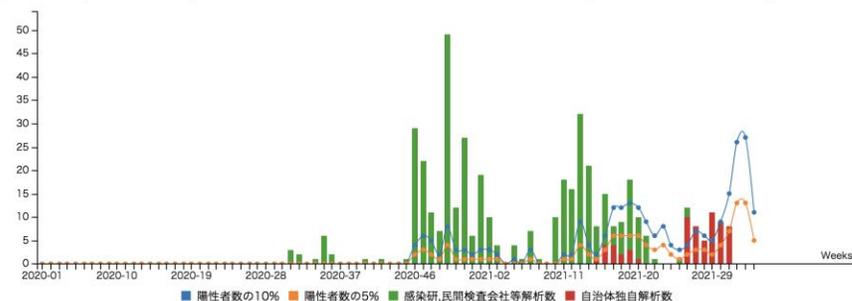
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

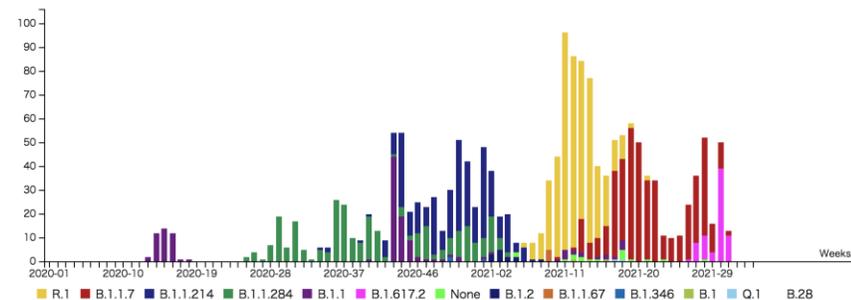
[Asia/Japan/Iwate] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
 [ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
 (いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

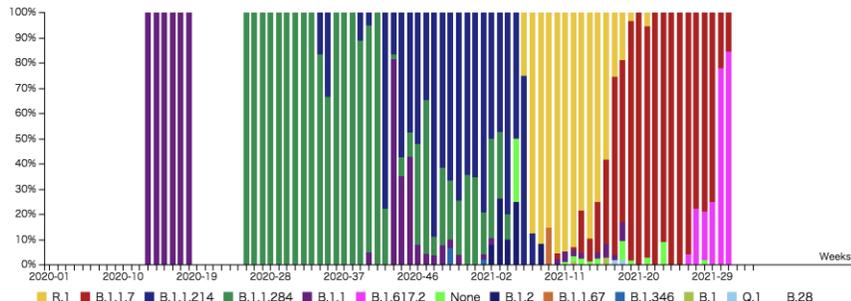
宮城県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



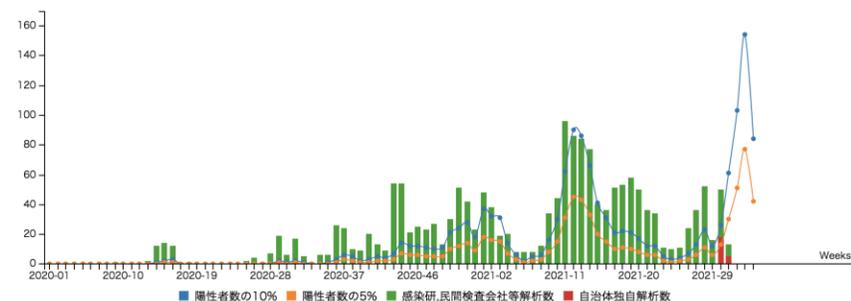
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

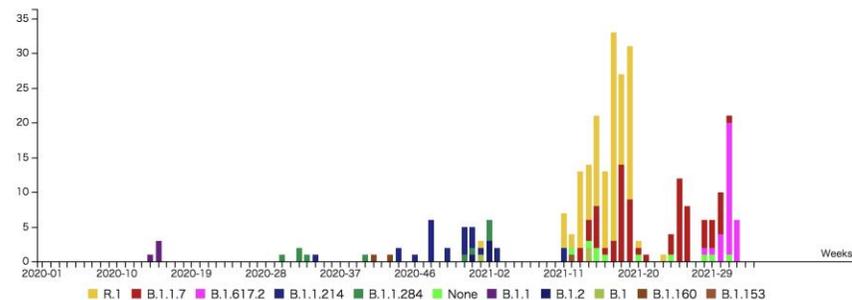
[Asia/Japan/Miyagi] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
 [ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
 (いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

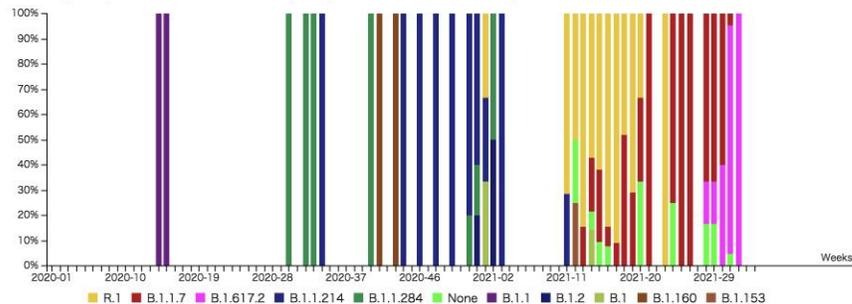
秋田県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



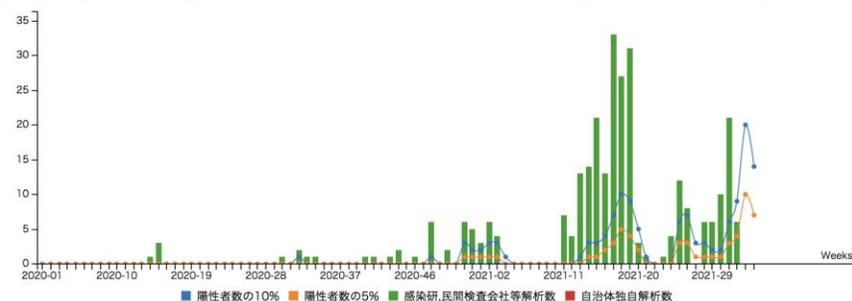
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

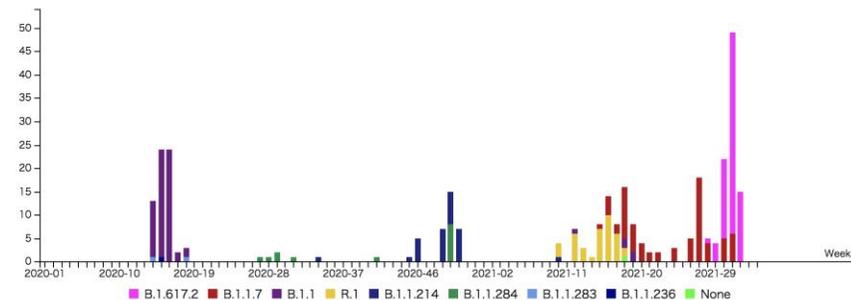
[Asia/Japan/Akita] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
 [ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
 (いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

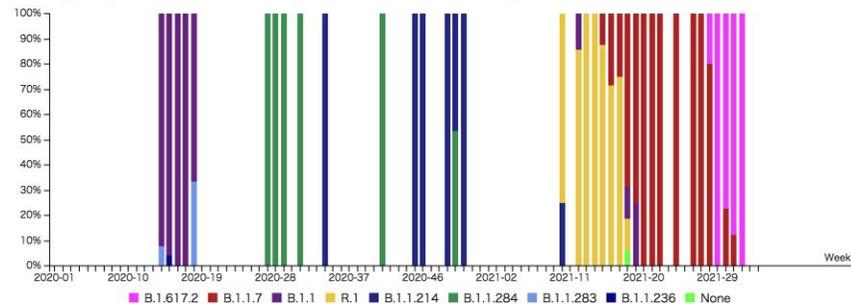
山形県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



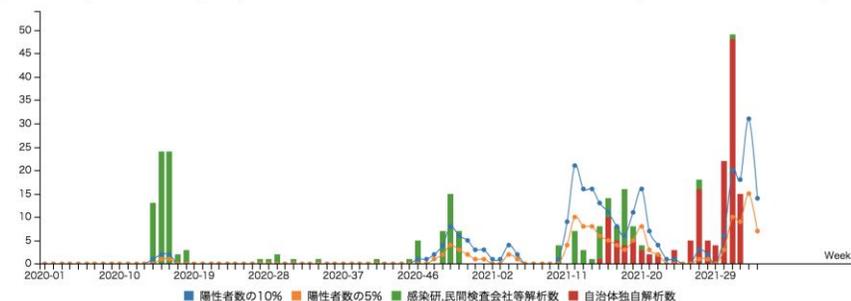
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

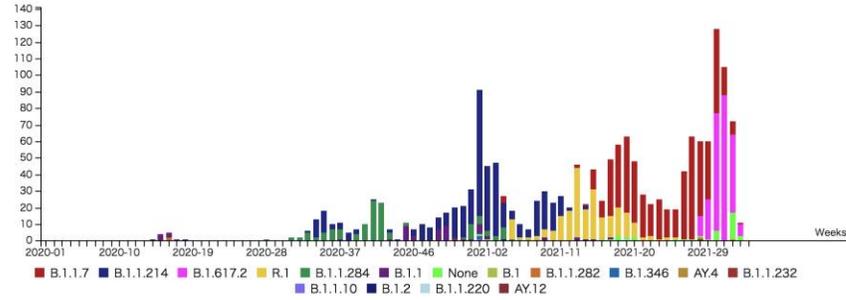
[Asia/Japan/Yamagata] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
 [ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
 (いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

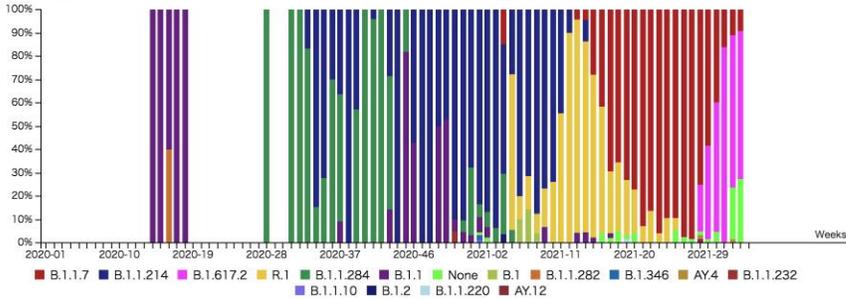
福島県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



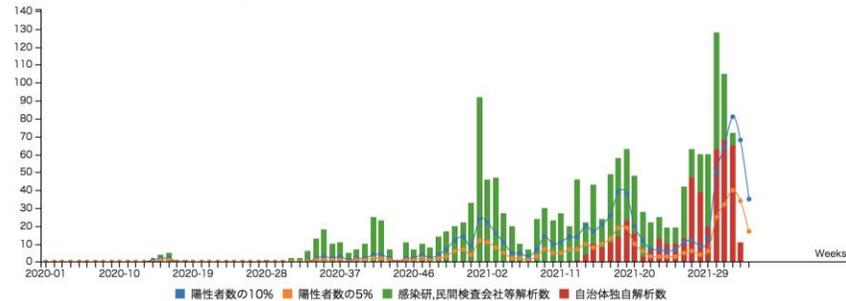
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

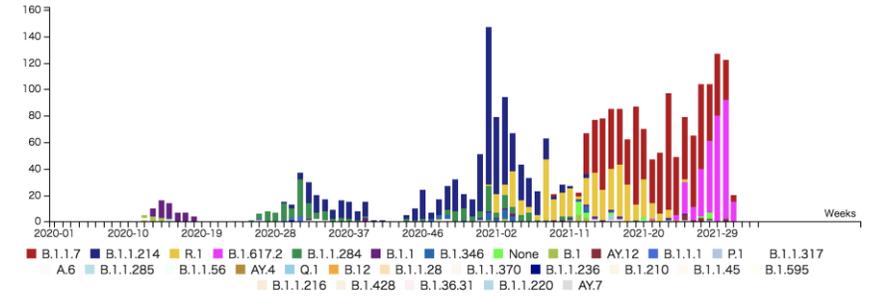
[Asia/Japan/Fukushima] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
 [ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
 (いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

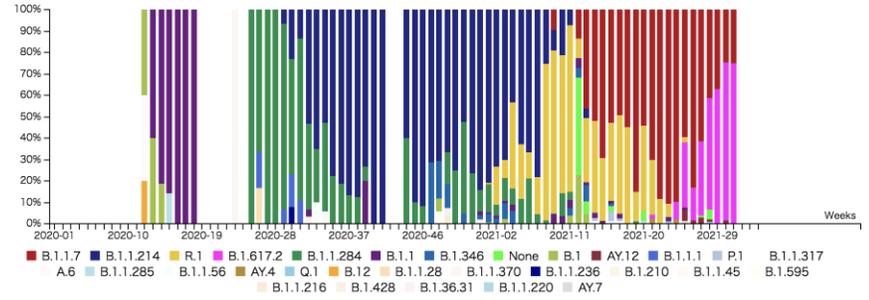
茨城県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



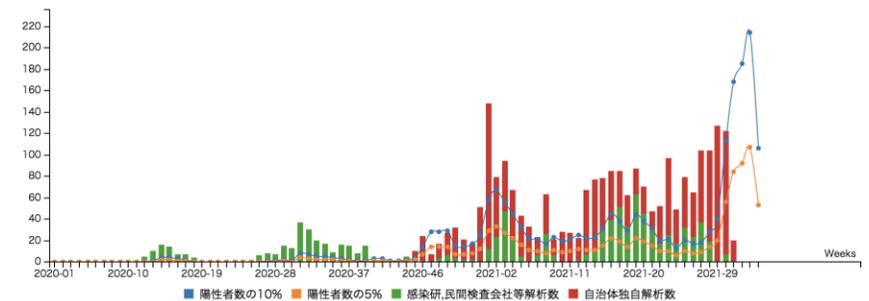
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

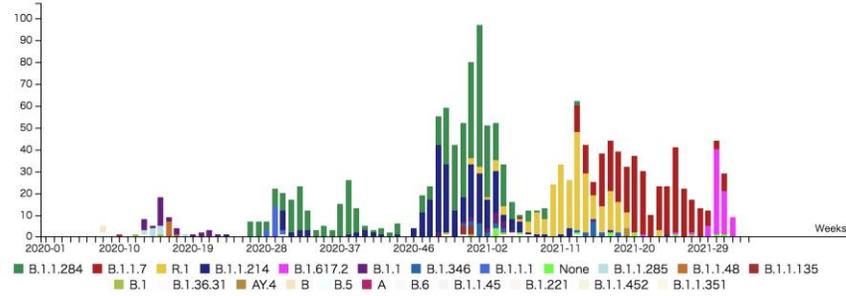
[Asia/Japan/Ibaraki] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
 [ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
 (いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

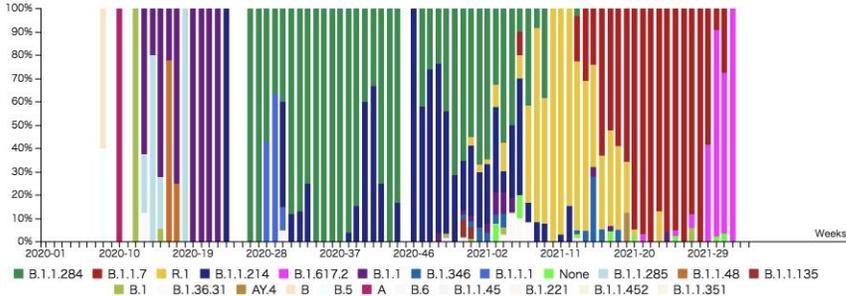
栃木県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



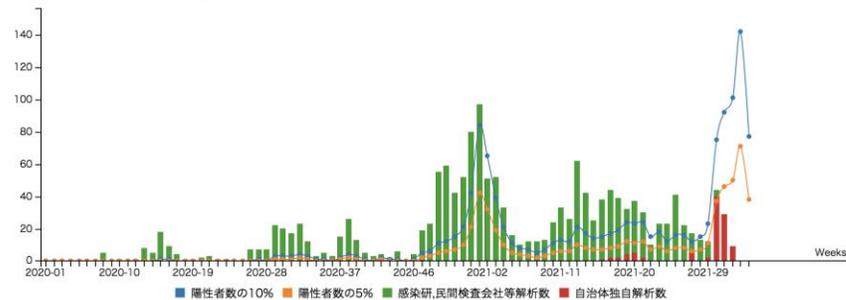
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

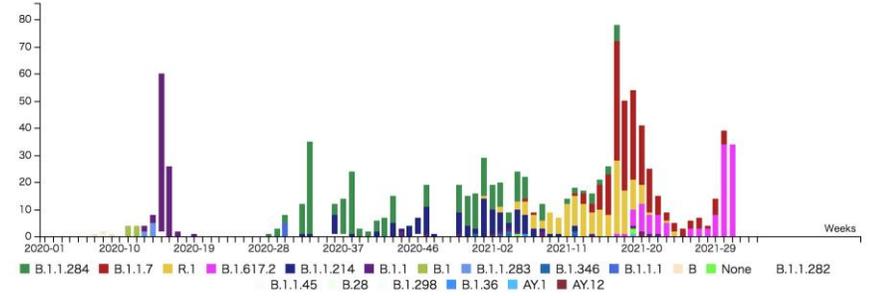
[Asia/Japan/Tochigi] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

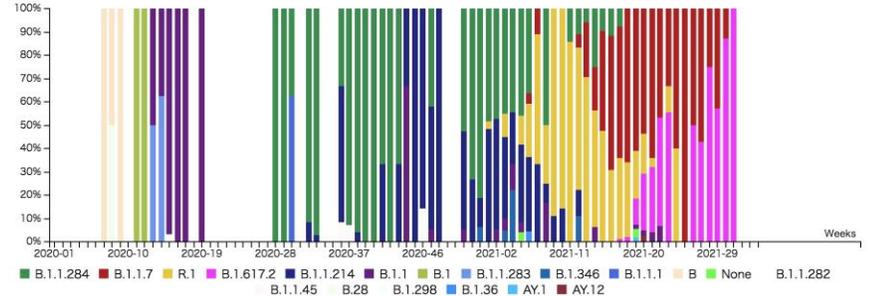
群馬県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



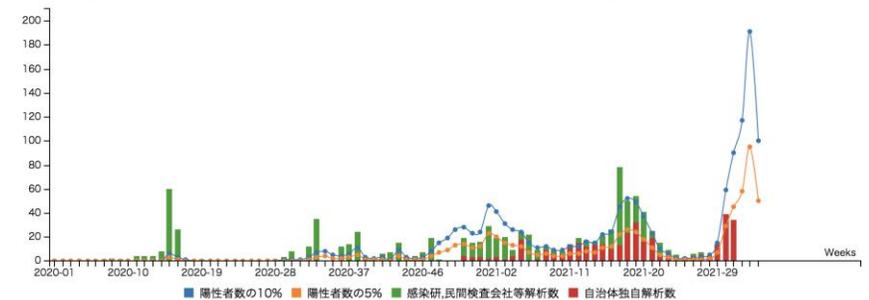
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

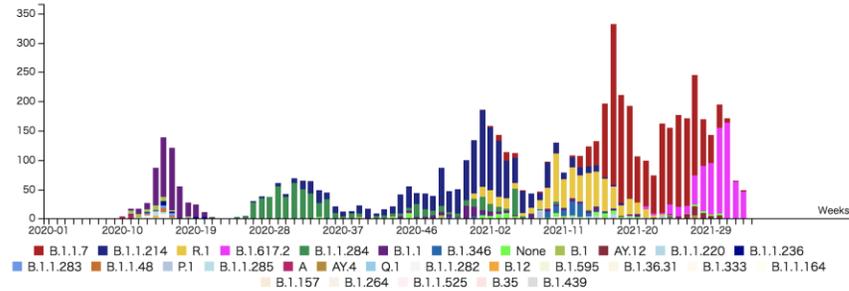
[Asia/Japan/Gunma] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

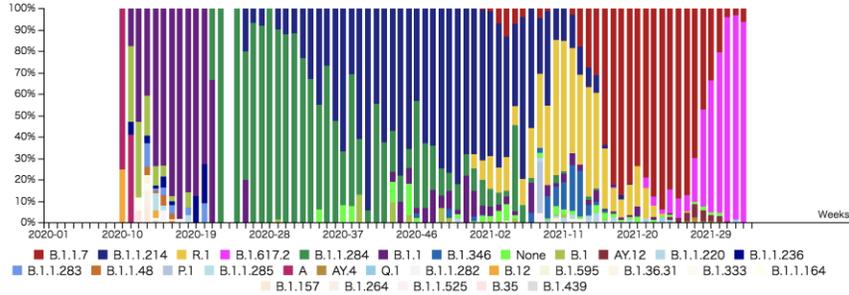
埼玉県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



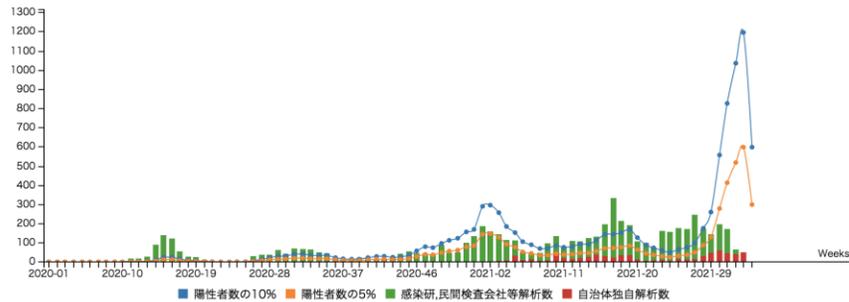
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

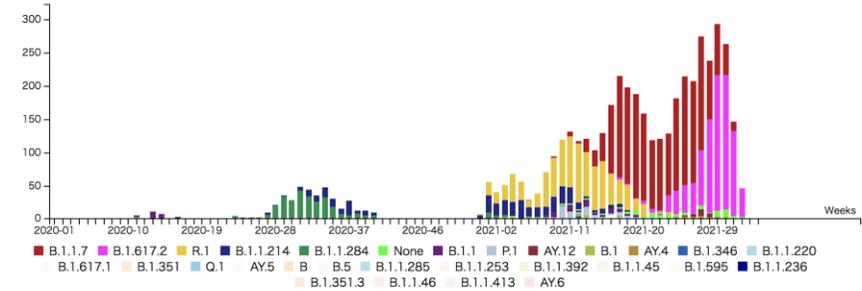
[Asia/Japan/Saitama] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
 [ゲノム確定数の計算] 感染症研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
 (いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

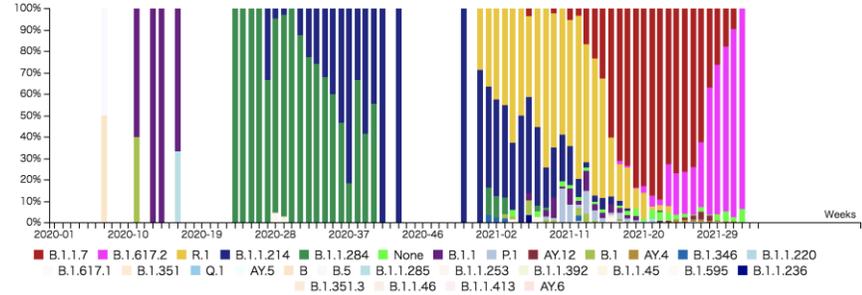
千葉県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



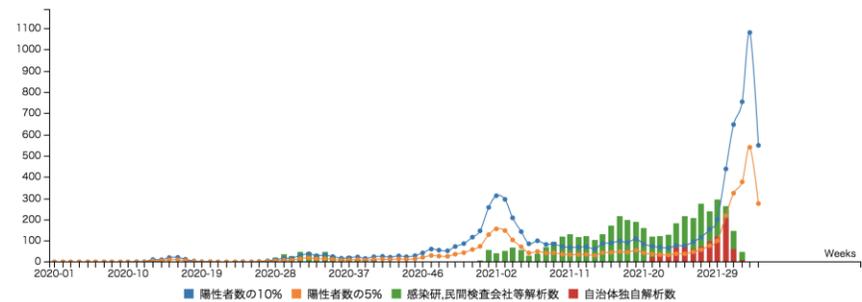
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Chiba] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)

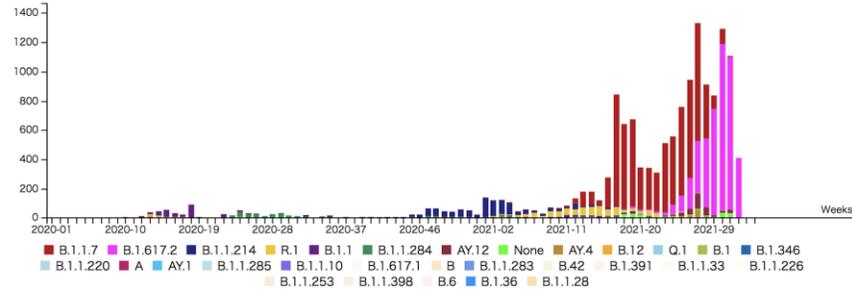


[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
 [ゲノム確定数の計算] 感染症研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
 (いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

※地方衛生研究所で解析されたゲノム解析結果を含む。

東京都

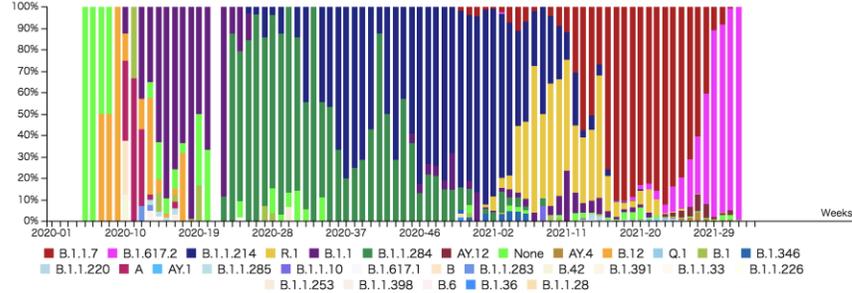
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

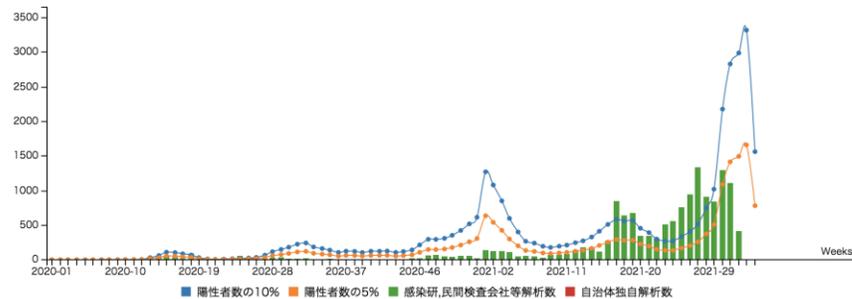
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Tokyo] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)

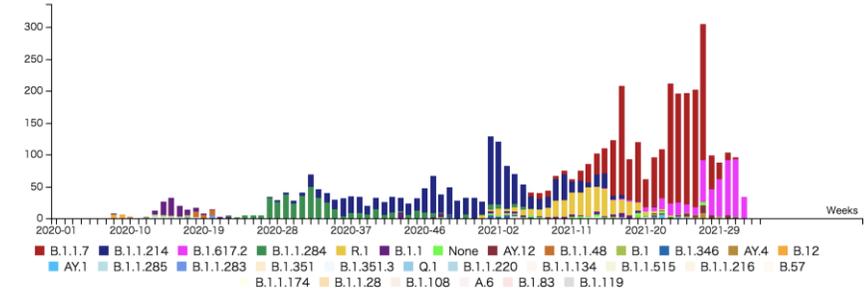


[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

神奈川県

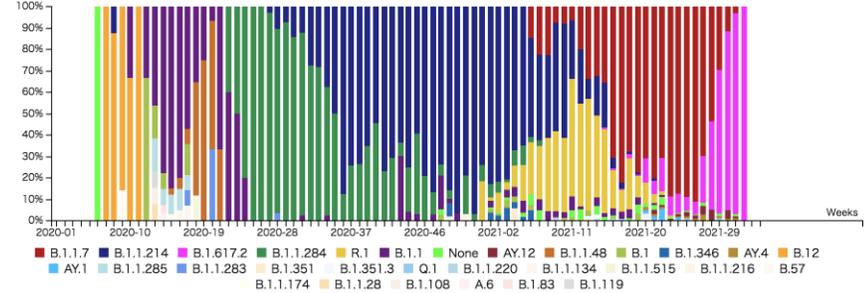
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

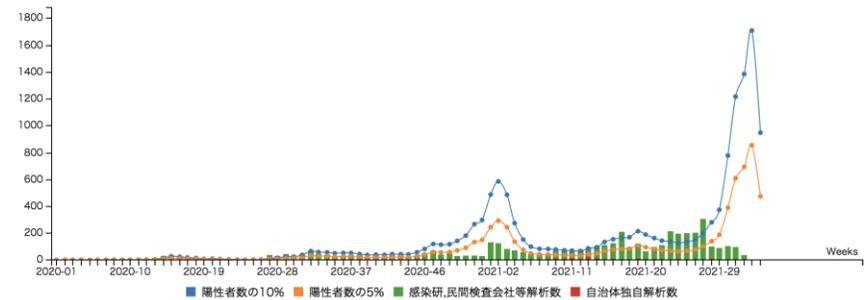
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Kanagawa] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)

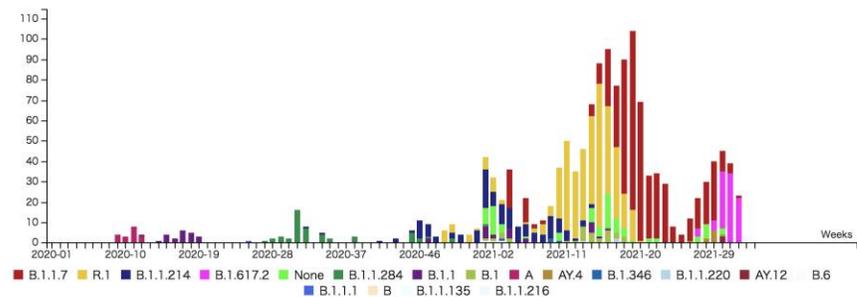


[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

新潟県

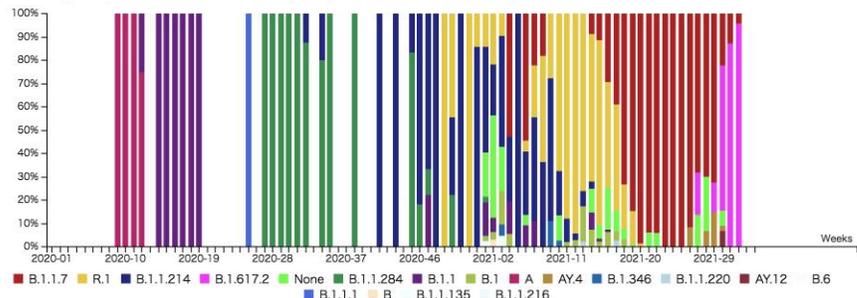
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

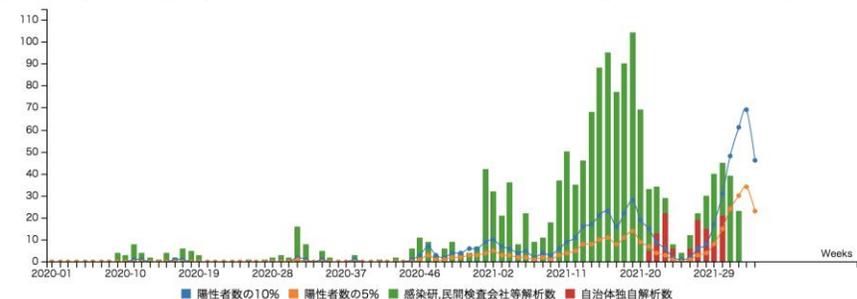
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Niigata] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



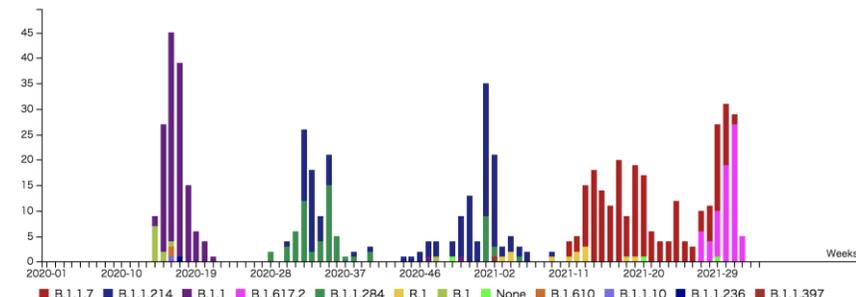
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

富山県

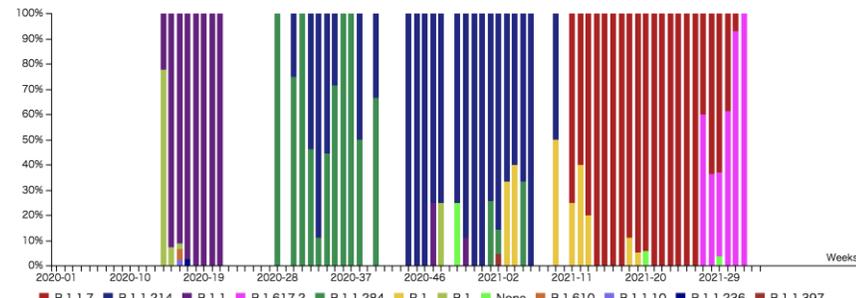
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

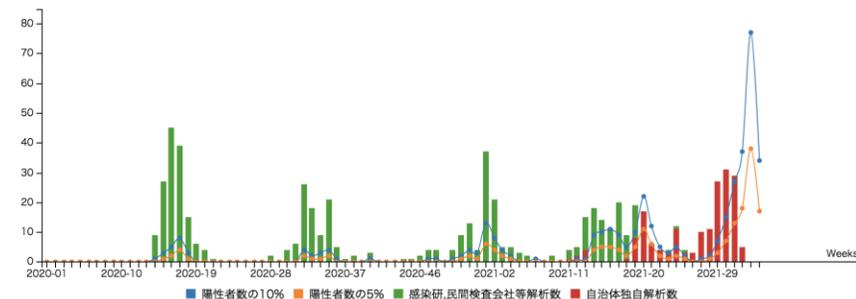
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Toyama] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



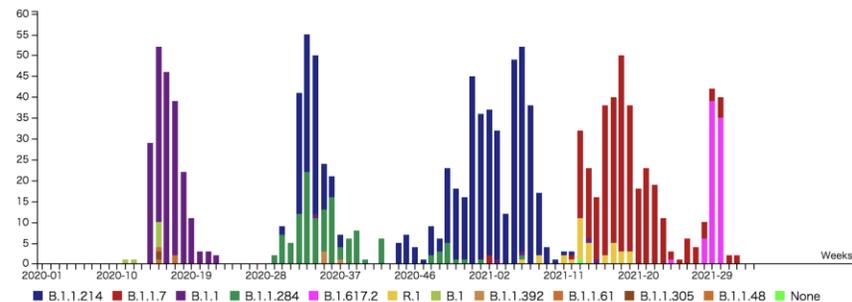
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

石川県

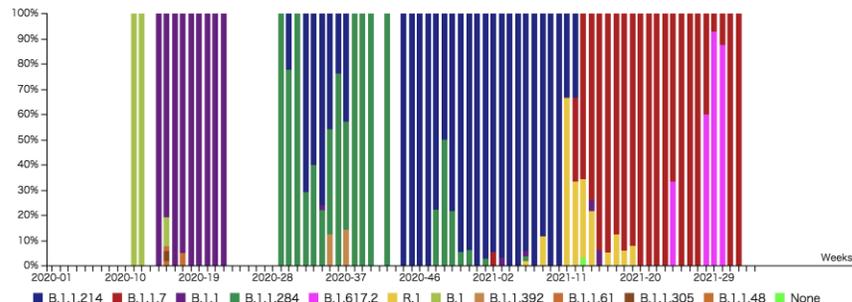
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

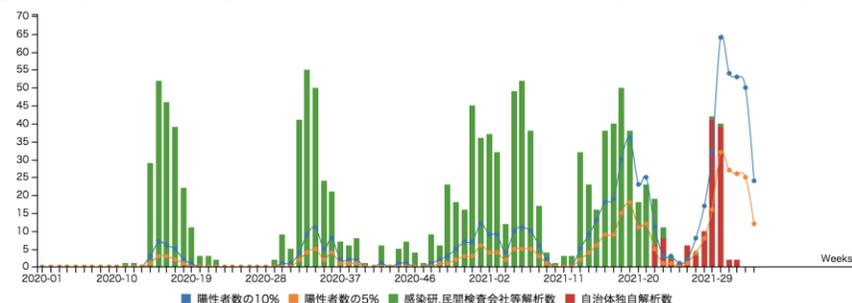
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Ishikawa] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



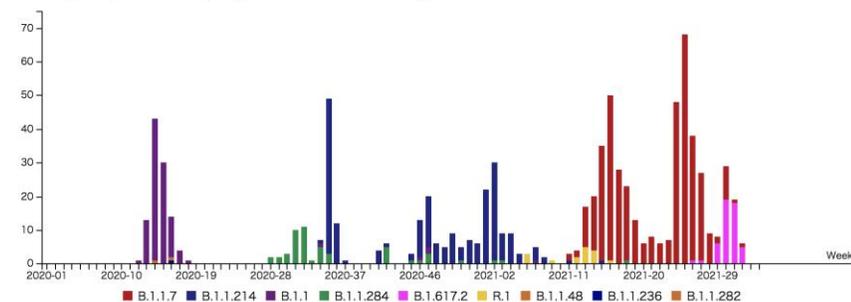
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

福井県

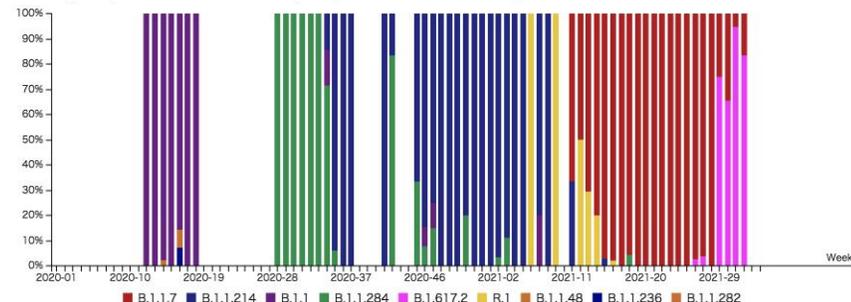
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

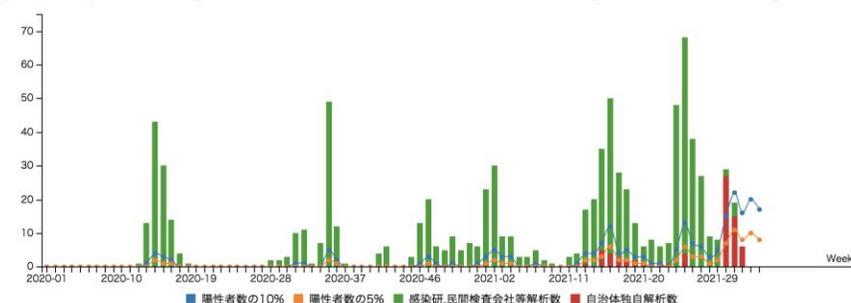
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Fukui] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



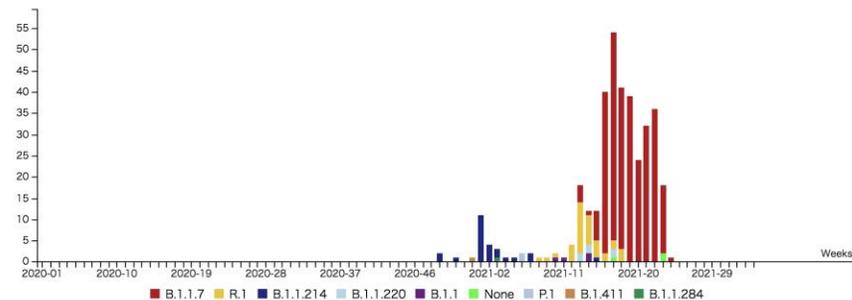
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

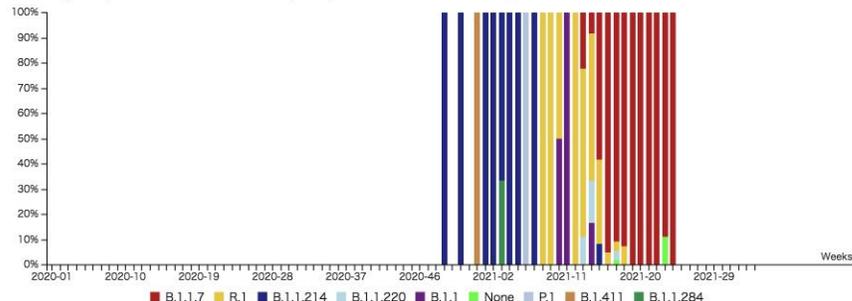
山梨県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



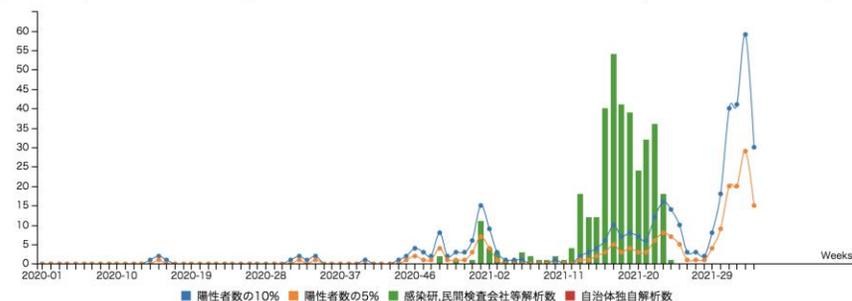
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

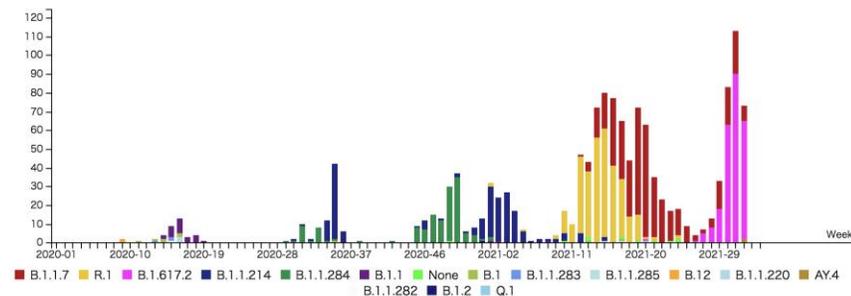
[Asia/Japan/Yamanashi] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
 [ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
 (いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

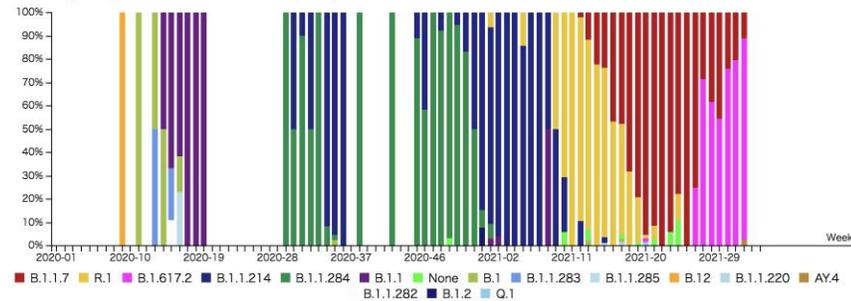
長野県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



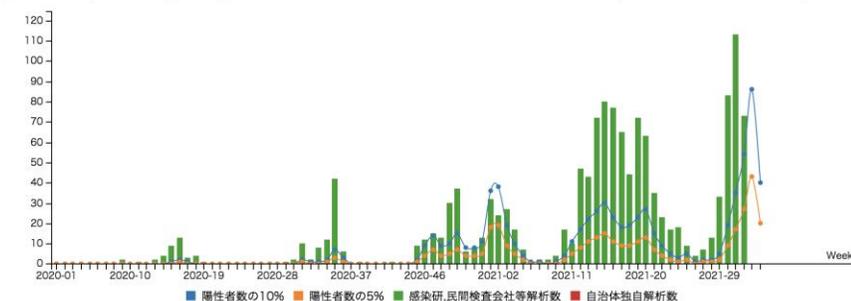
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

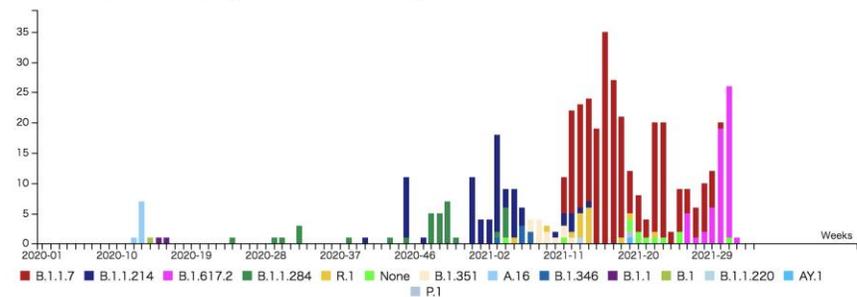
[Asia/Japan/Nagano] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
 [ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
 (いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

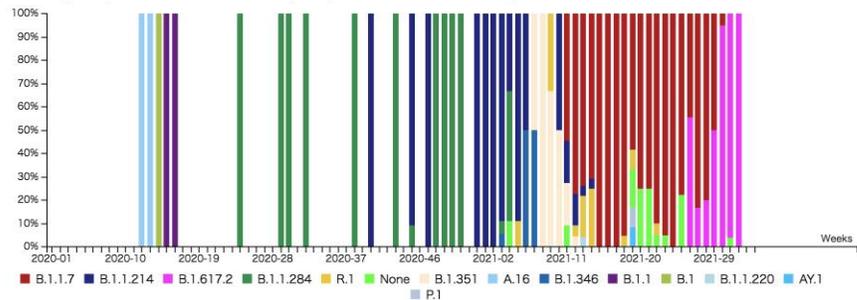
岐阜県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



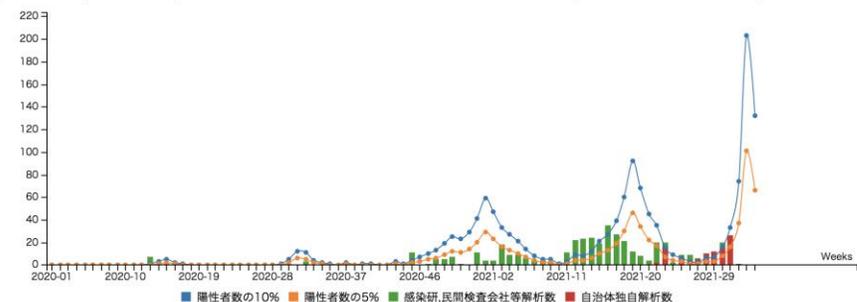
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

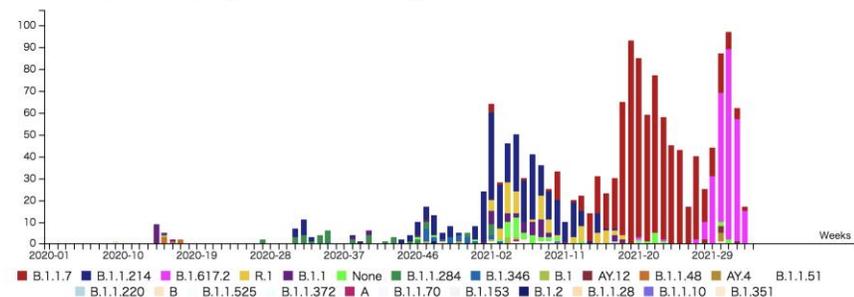
[Asia/Japan/Gifu] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

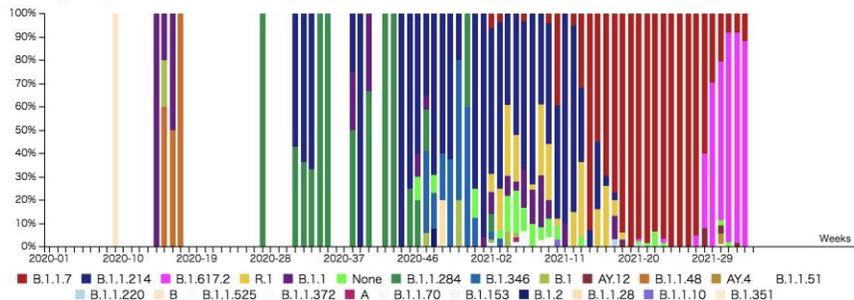
静岡県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



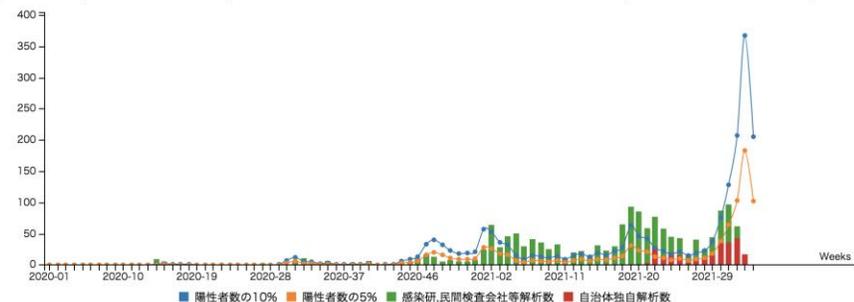
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

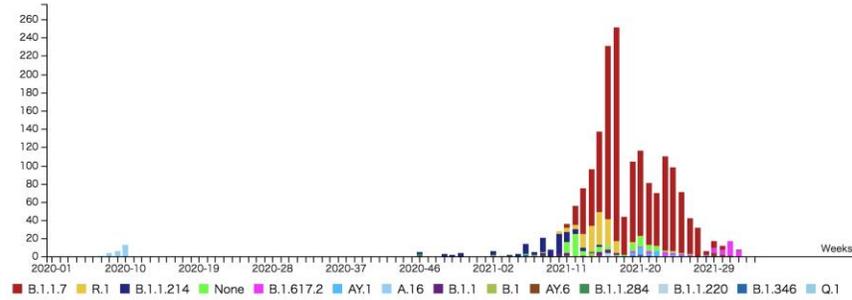
[Asia/Japan/Shizuoka] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

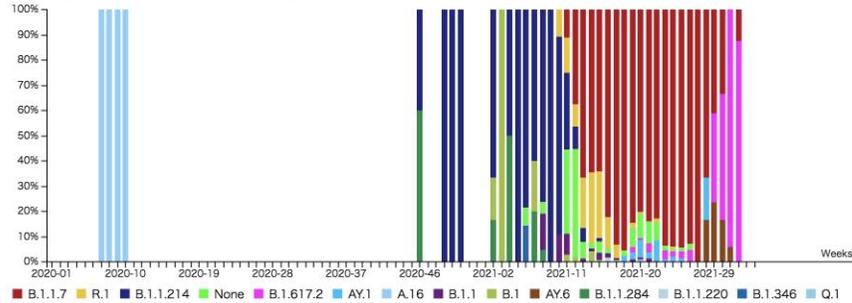
愛知県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



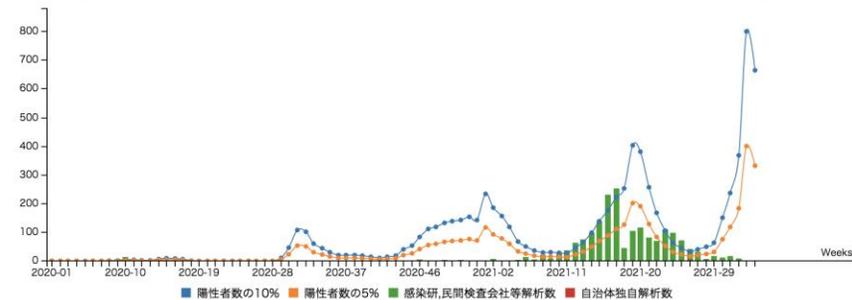
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

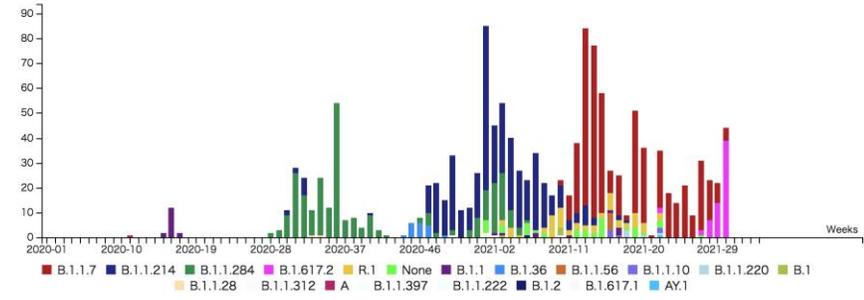
[Asia/Japan/Aichi] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
 [ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
 (いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

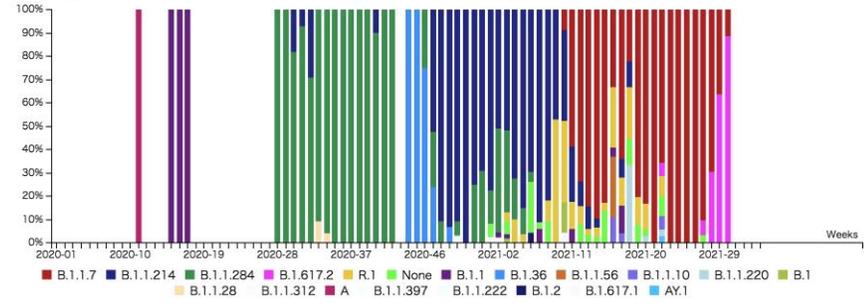
三重県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



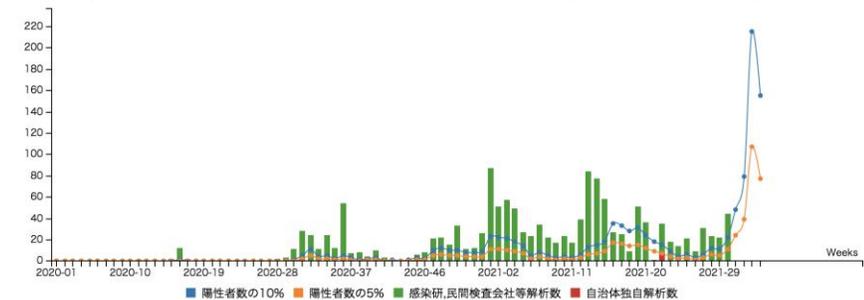
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

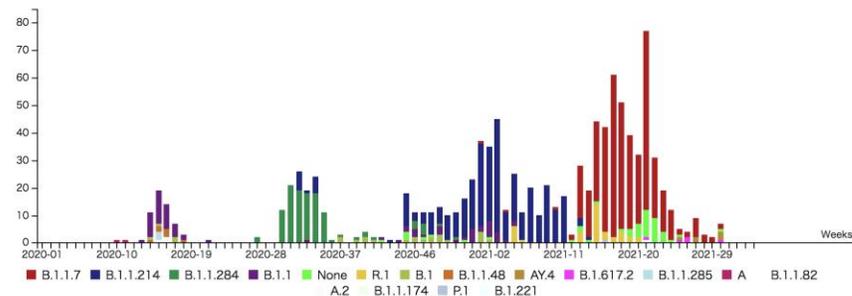
[Asia/Japan/Mie] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
 [ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
 (いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

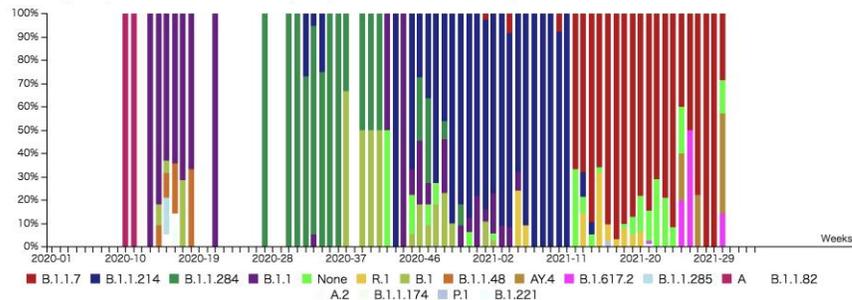
滋賀県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



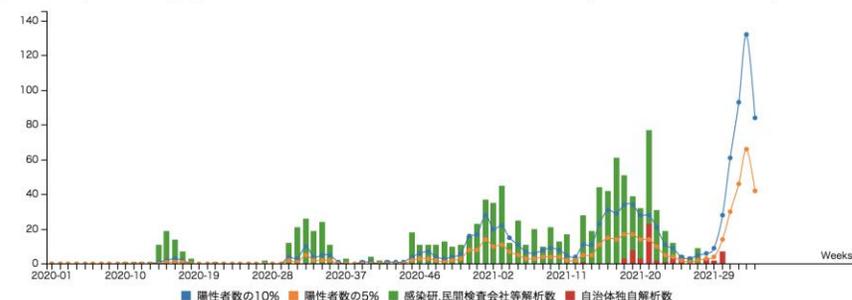
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

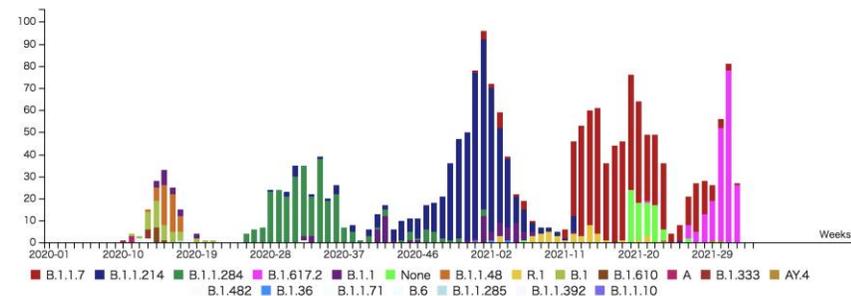
[Asia/Japan/Shiga] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
 [ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
 (いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

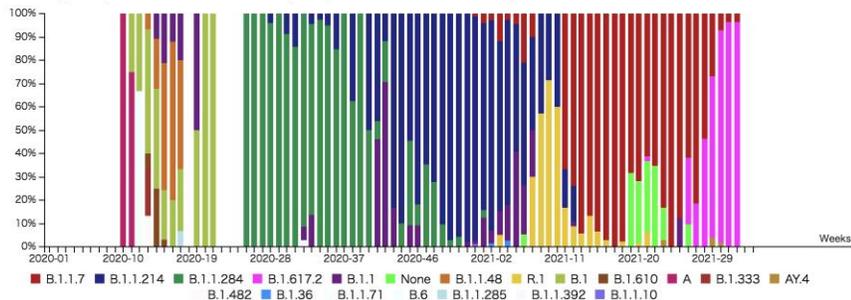
京都府

Weekly Top 30 Graph (count each week)



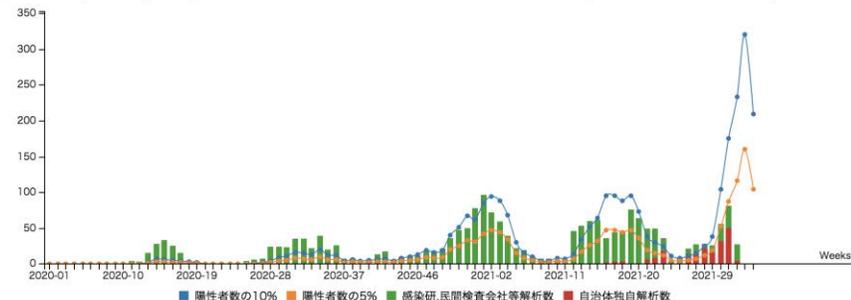
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

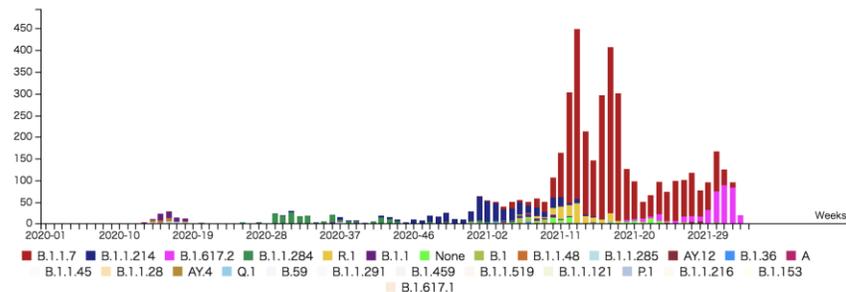
[Asia/Japan/Kyoto] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
 [ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
 (いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

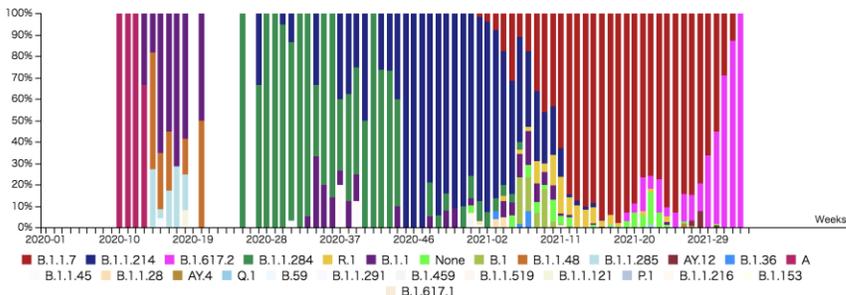
大阪府

Weekly Top 30 Graph (count each week)



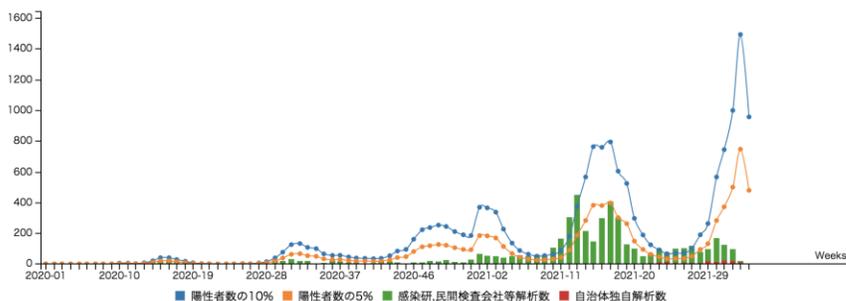
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

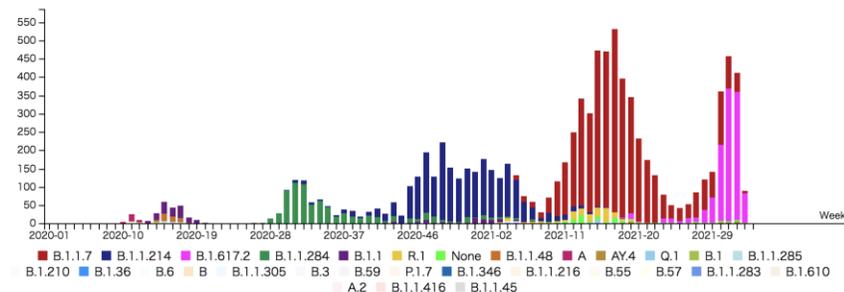
[Asia/Japan/Osaka] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
[ゲノム確定数の計算] 感染症研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

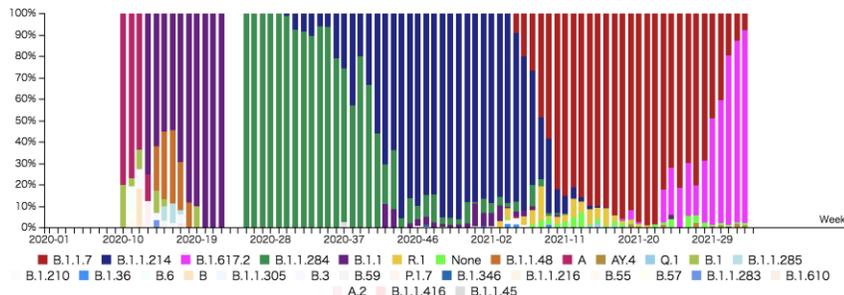
兵庫県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



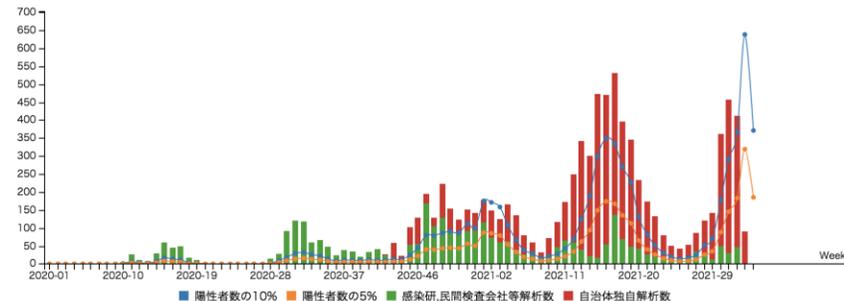
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

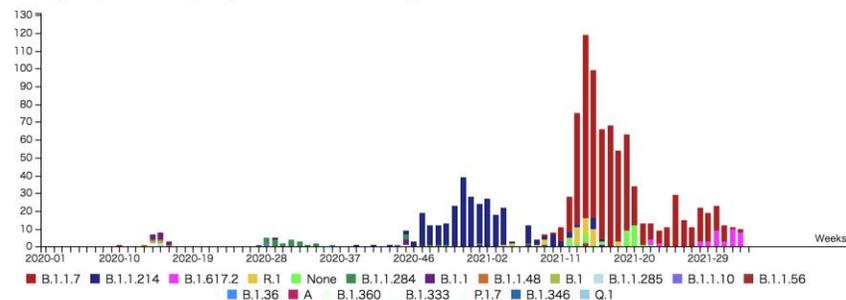
[Asia/Japan/Hyogo] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
[ゲノム確定数の計算] 感染症研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

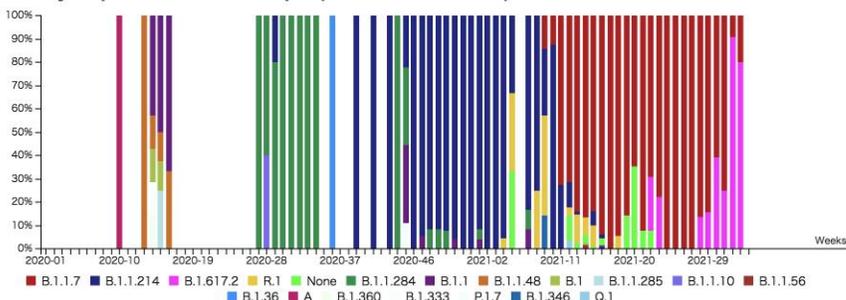
奈良県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



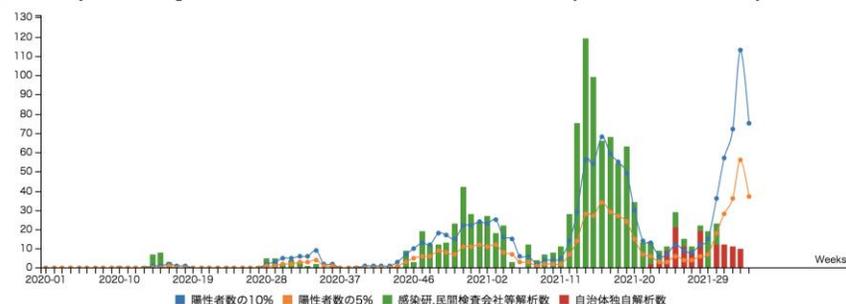
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

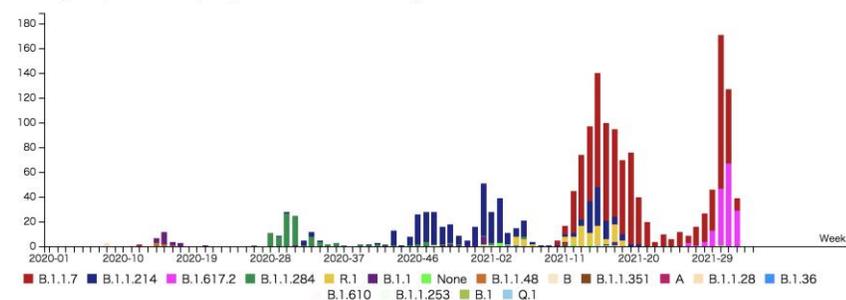
[Asia/Japan/Nara] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

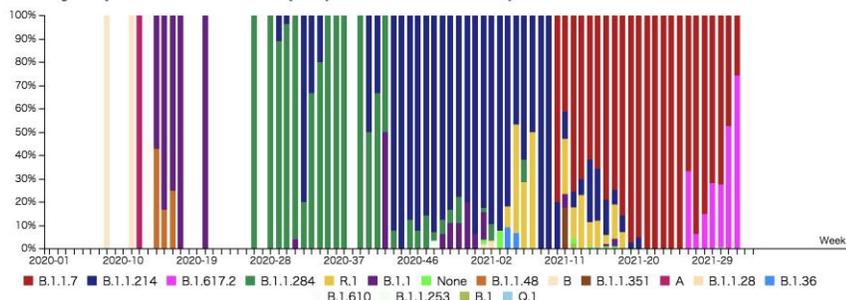
和歌山県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



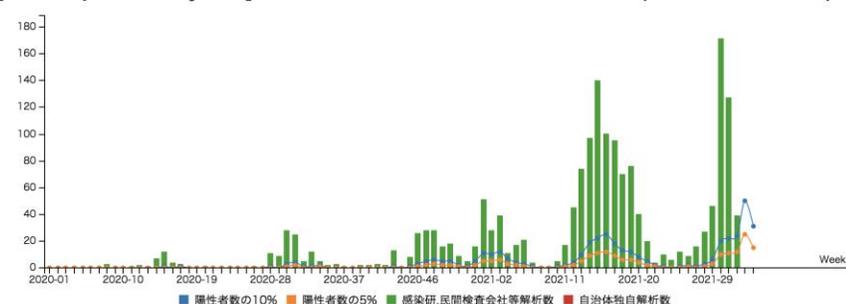
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

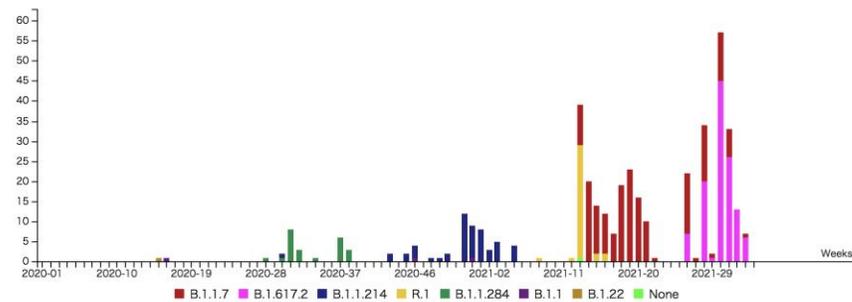
[Asia/Japan/Wakayama] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

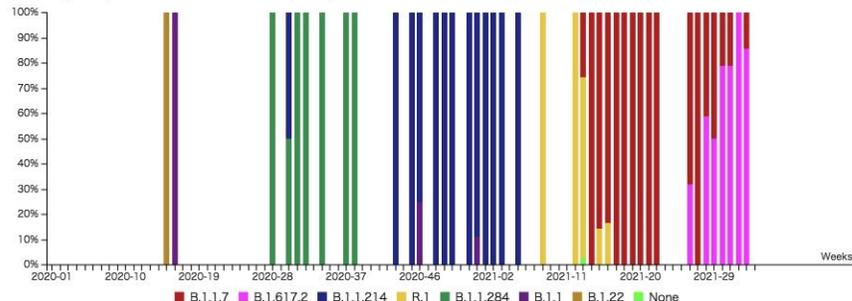
鳥取県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



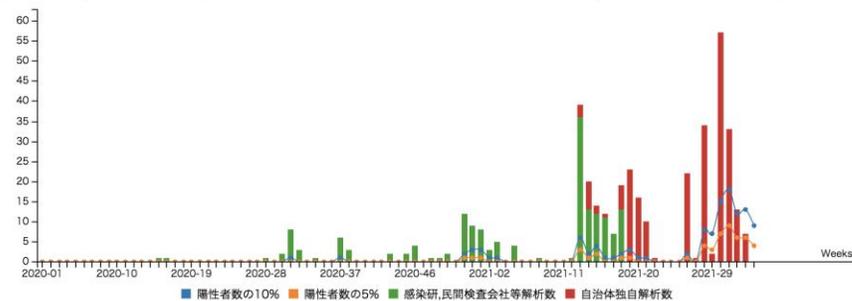
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

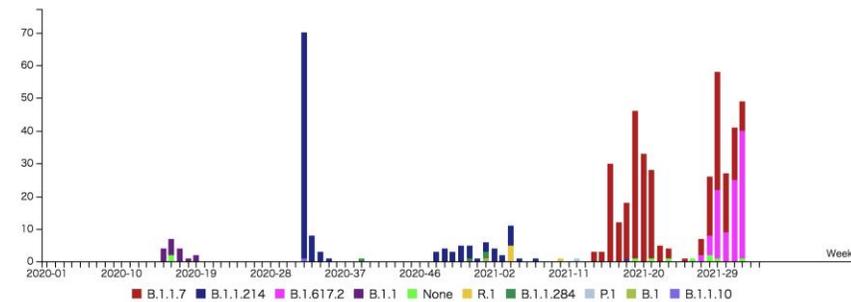
[Asia/Japan/Tottori] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
 [ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
 (いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

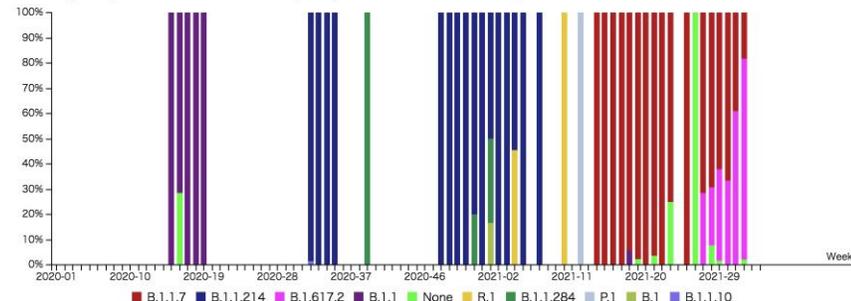
島根県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



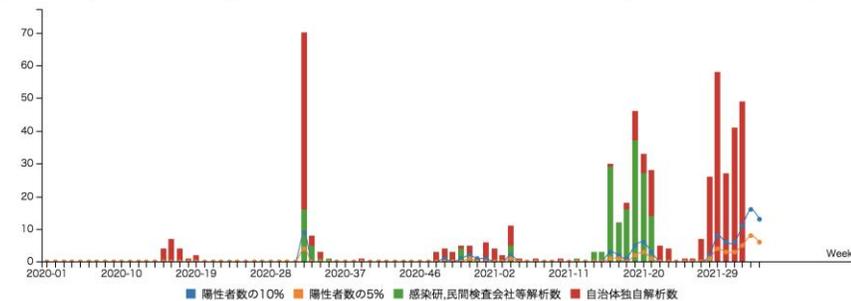
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

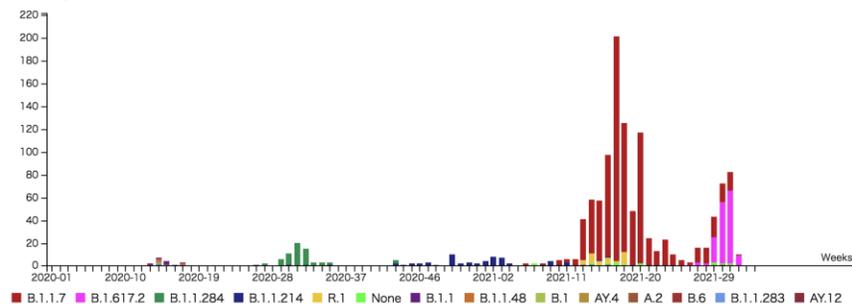
[Asia/Japan/Shimane] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
 [ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
 (いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

岡山県

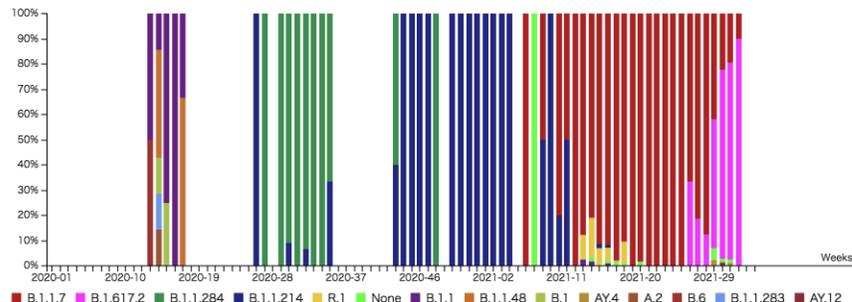
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

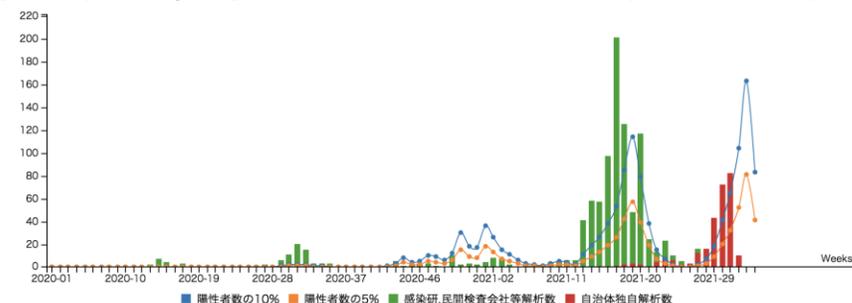
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Okayama] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)

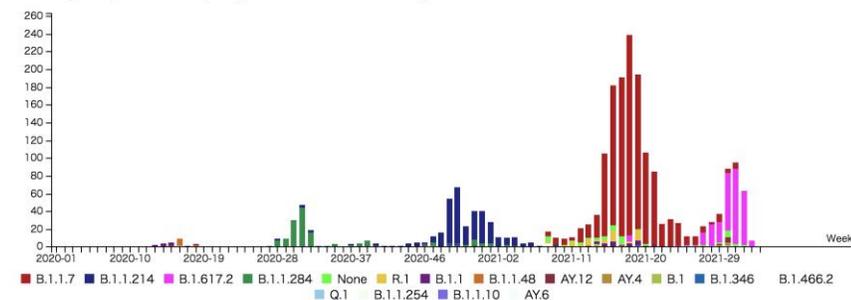


[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

広島県

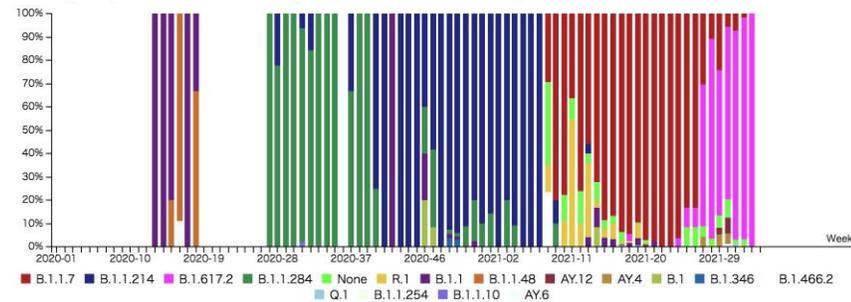
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

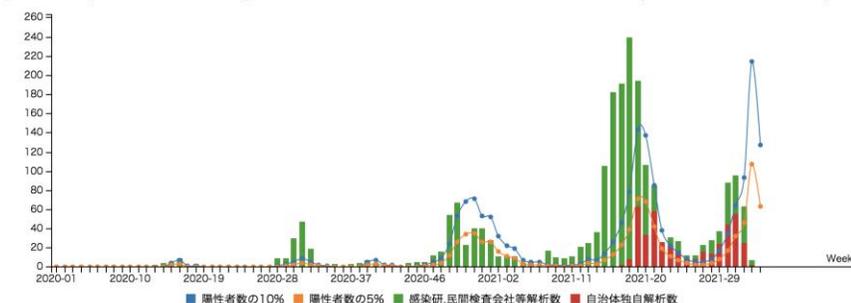
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Hiroshima] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)

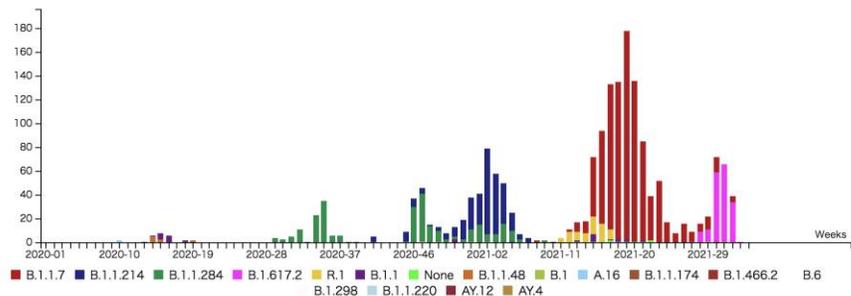


[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

山口県

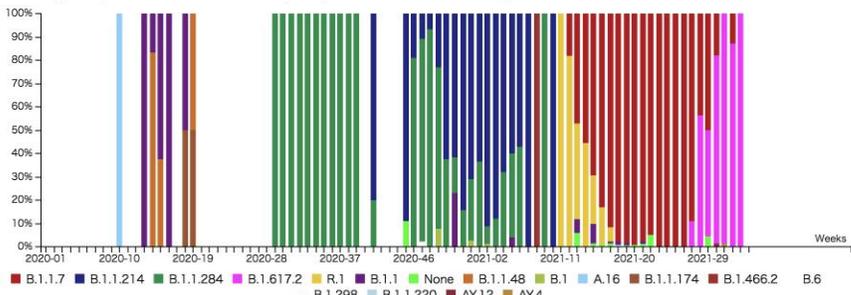
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

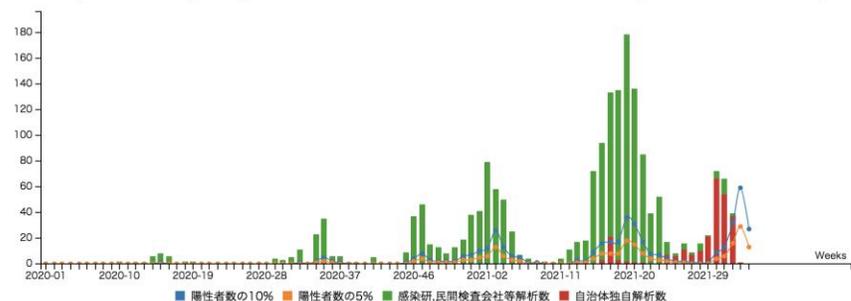
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Yamaguchi] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)

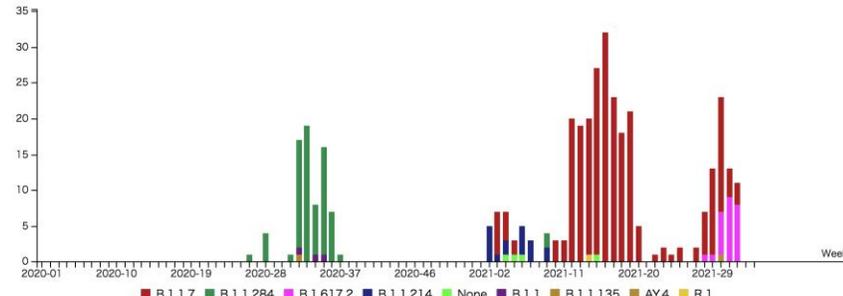


[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

徳島県

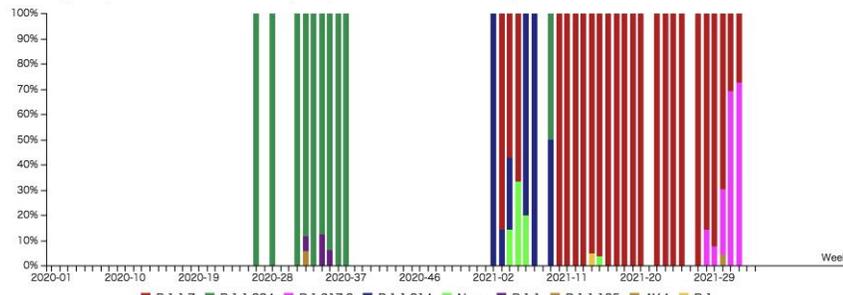
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

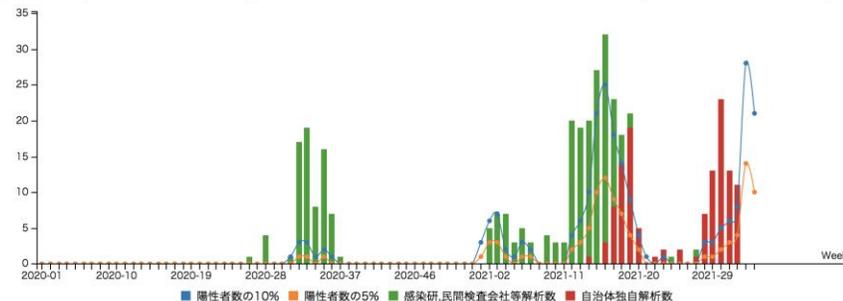
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Tokushima] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)

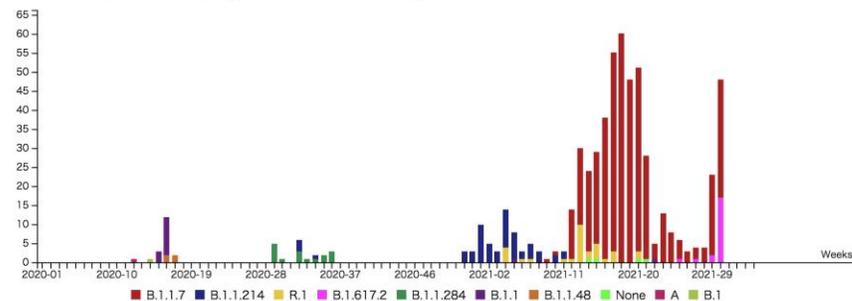


[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

香川県

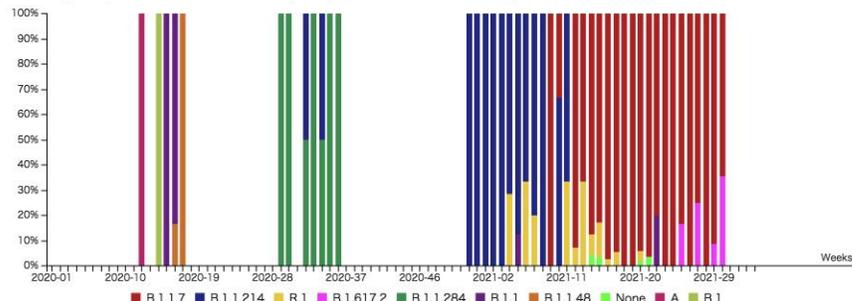
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

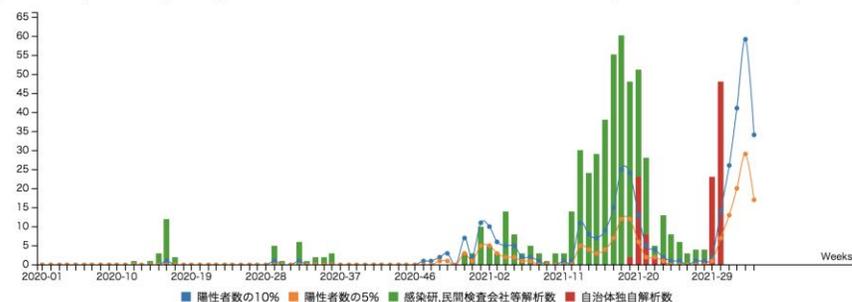
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Kagawa] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



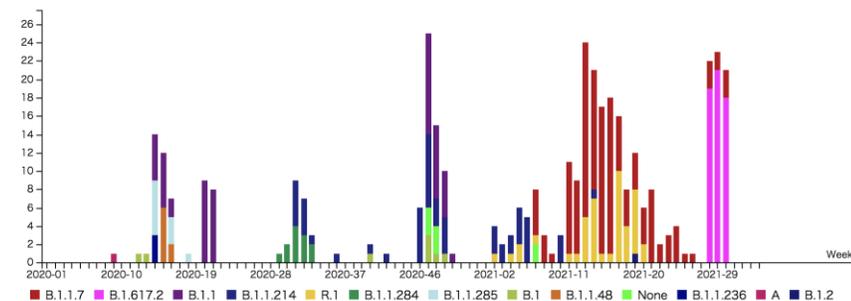
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

愛媛県

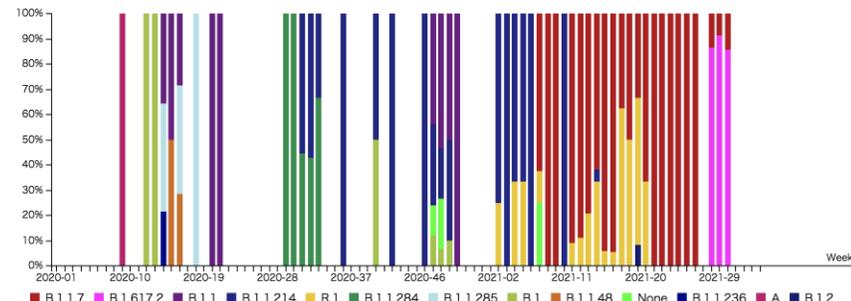
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

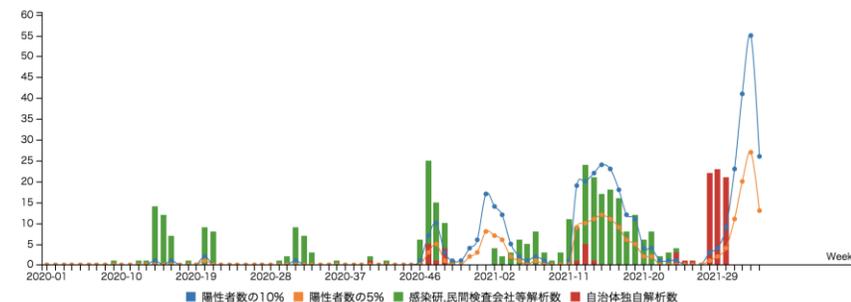
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Ehime] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



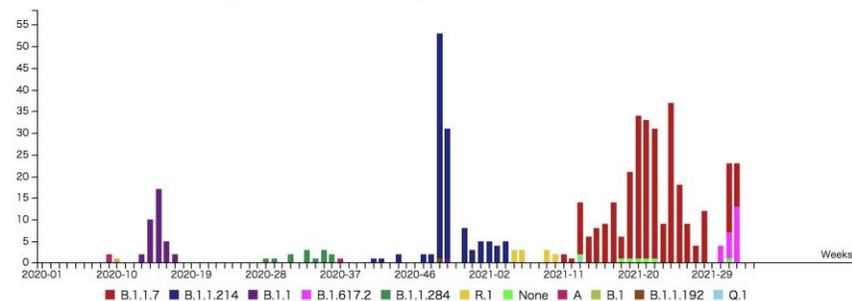
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

高知県

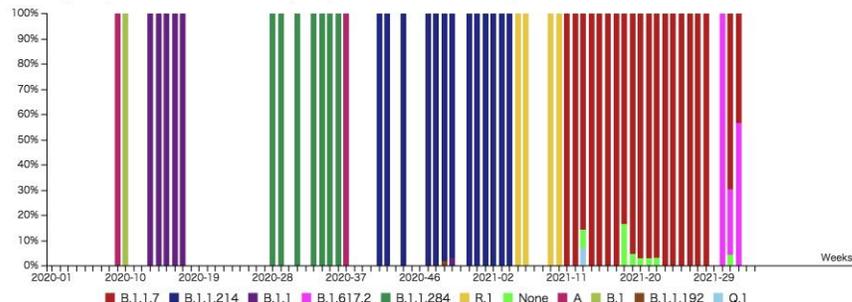
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

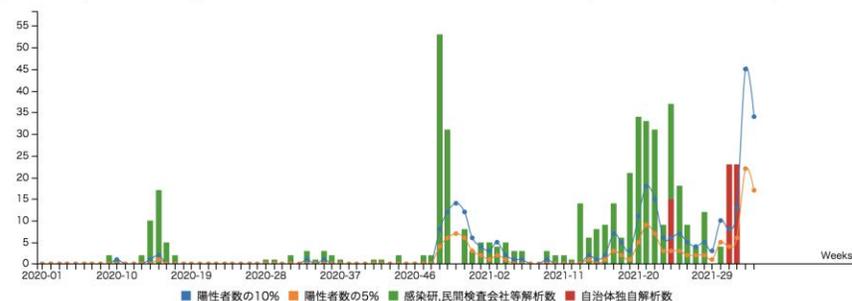
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Kochi] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



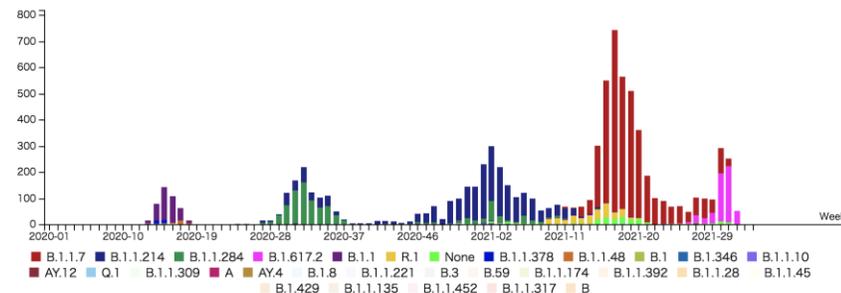
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

福岡県

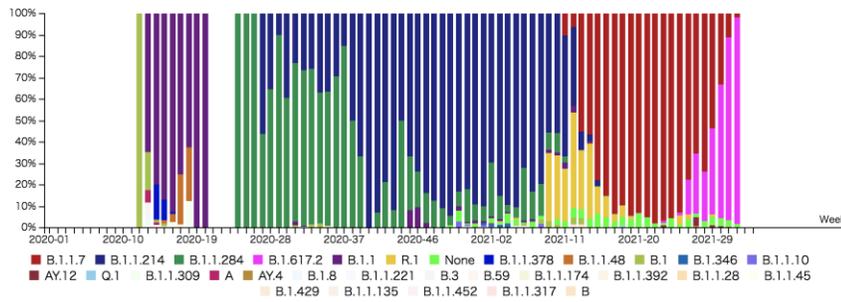
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

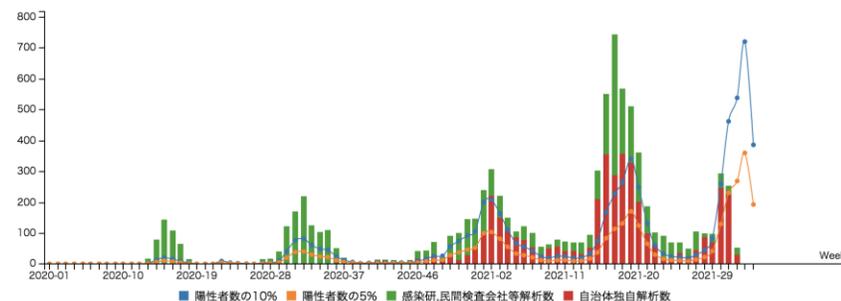
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Fukuoka] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



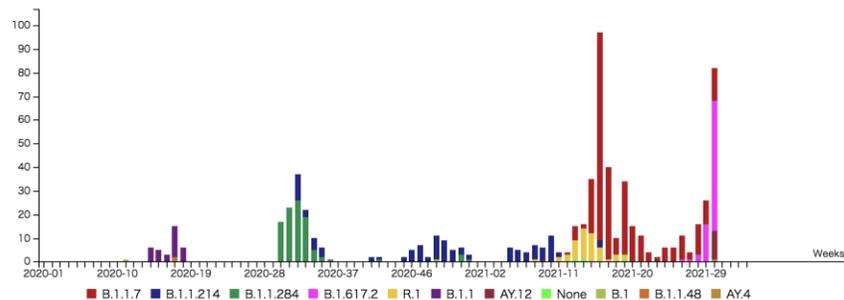
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

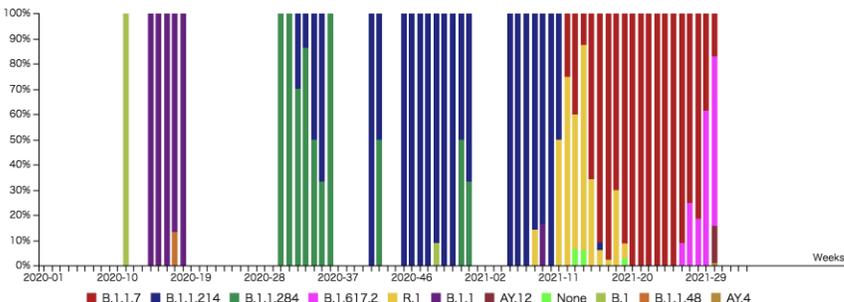
佐賀県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



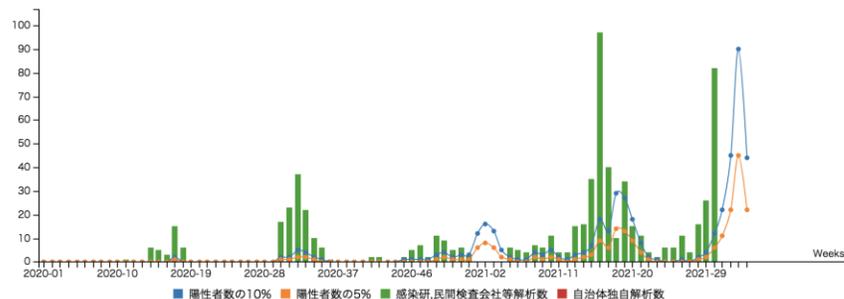
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

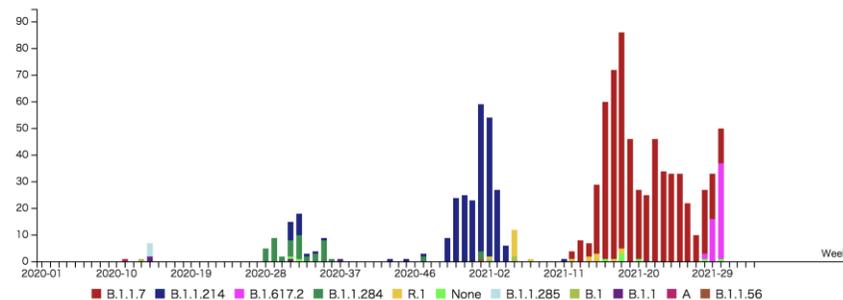
[Asia/Japan/Saga] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
 [ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
 (いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

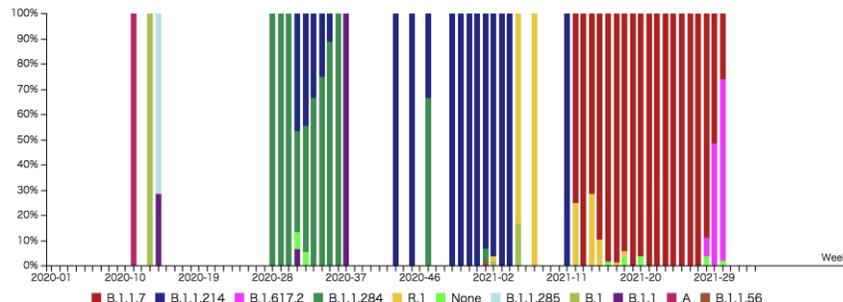
長崎県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



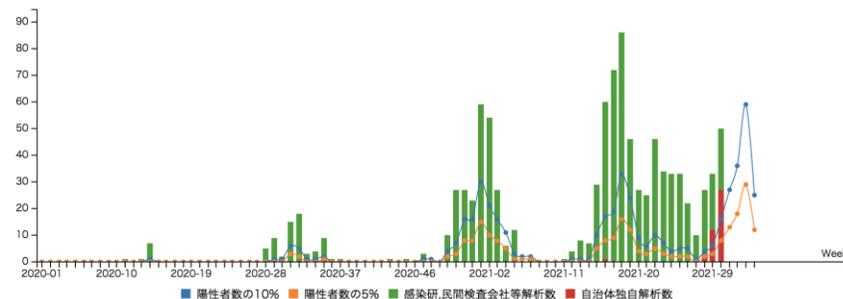
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

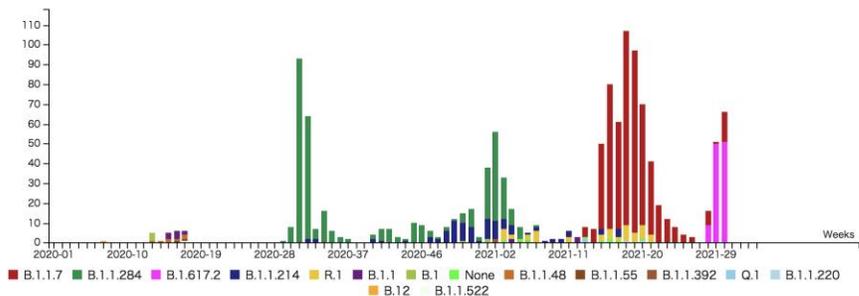
[Asia/Japan/Nagasaki] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
 [ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
 (いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

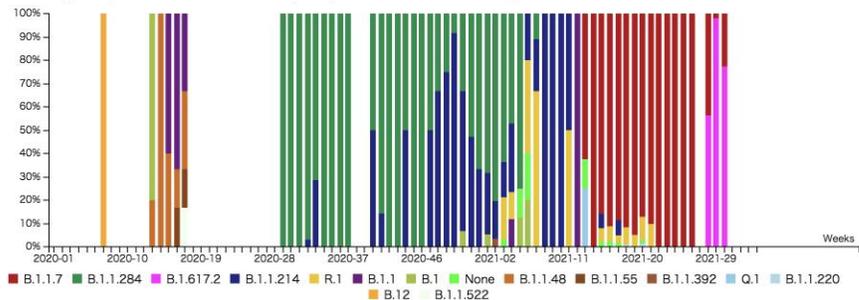
熊本県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



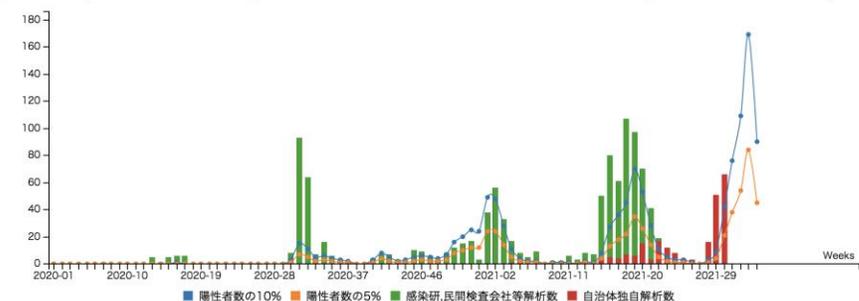
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

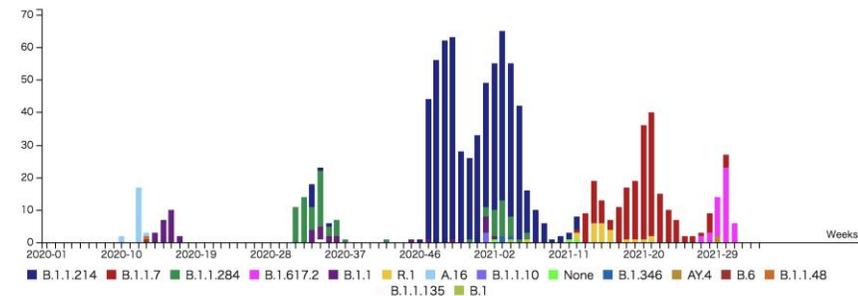
[Asia/Japan/Kumamoto] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
 [ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
 (いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

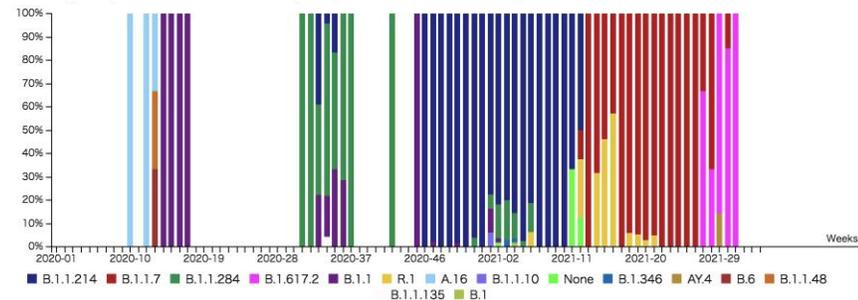
大分県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



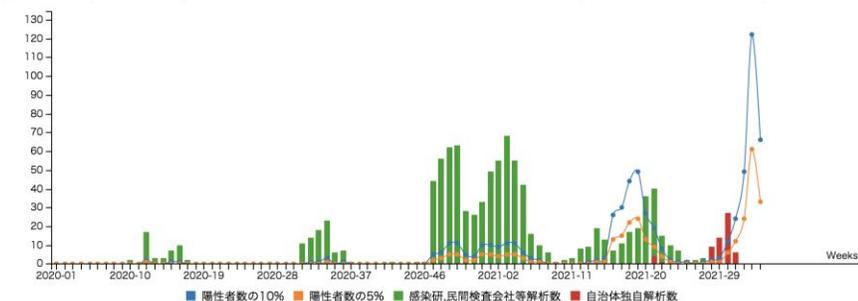
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

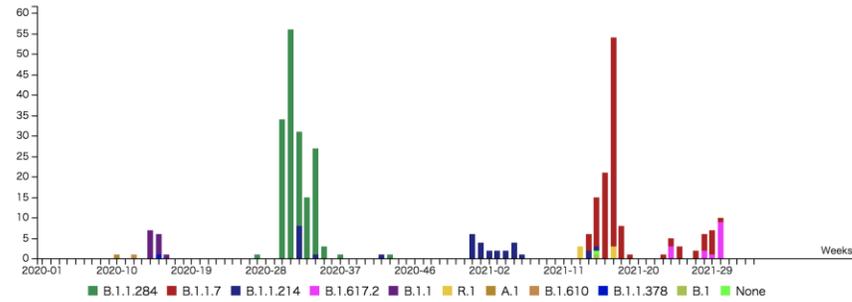
[Asia/Japan/Oita] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
 [ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
 (いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

宮崎県

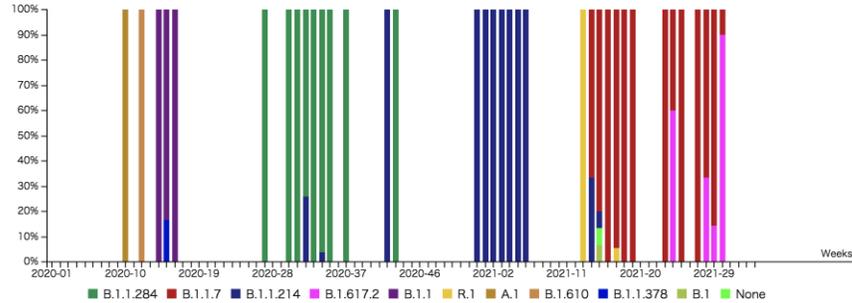
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

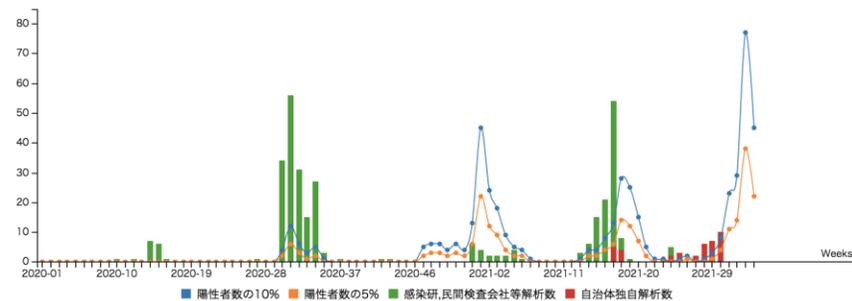
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Miyazaki] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



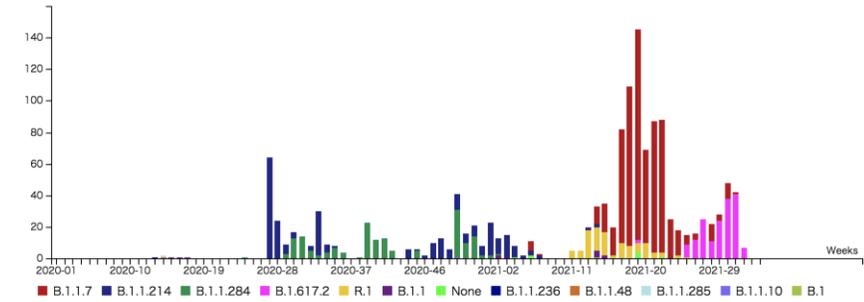
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

鹿児島県

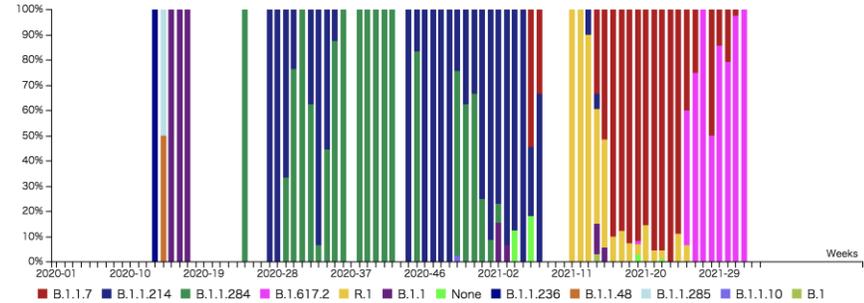
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

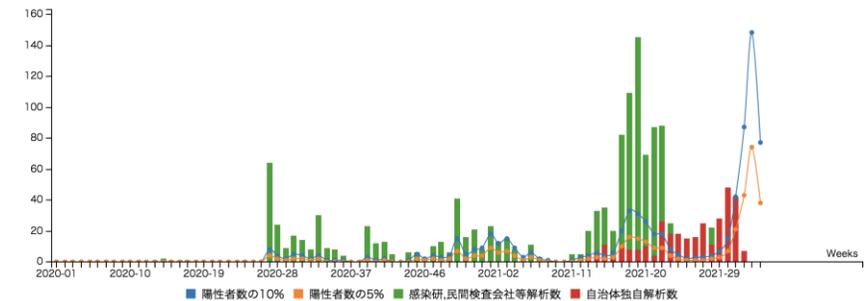
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Kagoshima] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



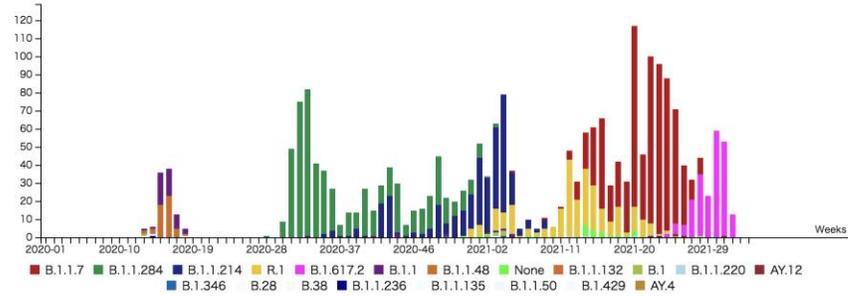
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

沖縄県

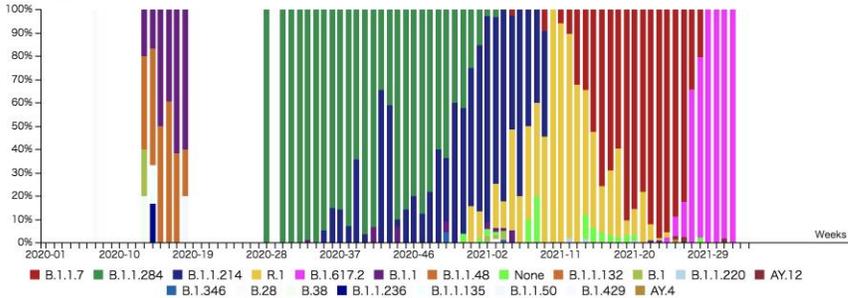
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

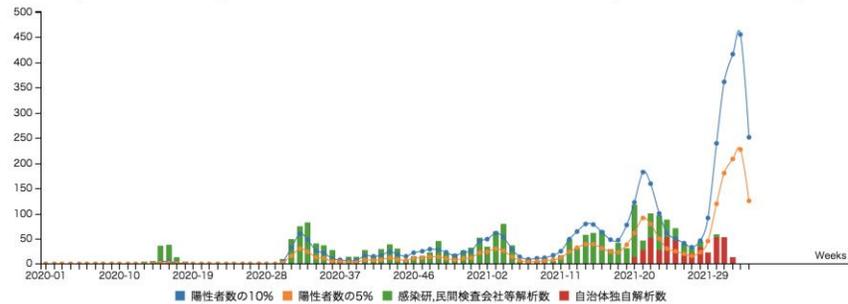
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Okinawa] 陽性者数の10%・5% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)