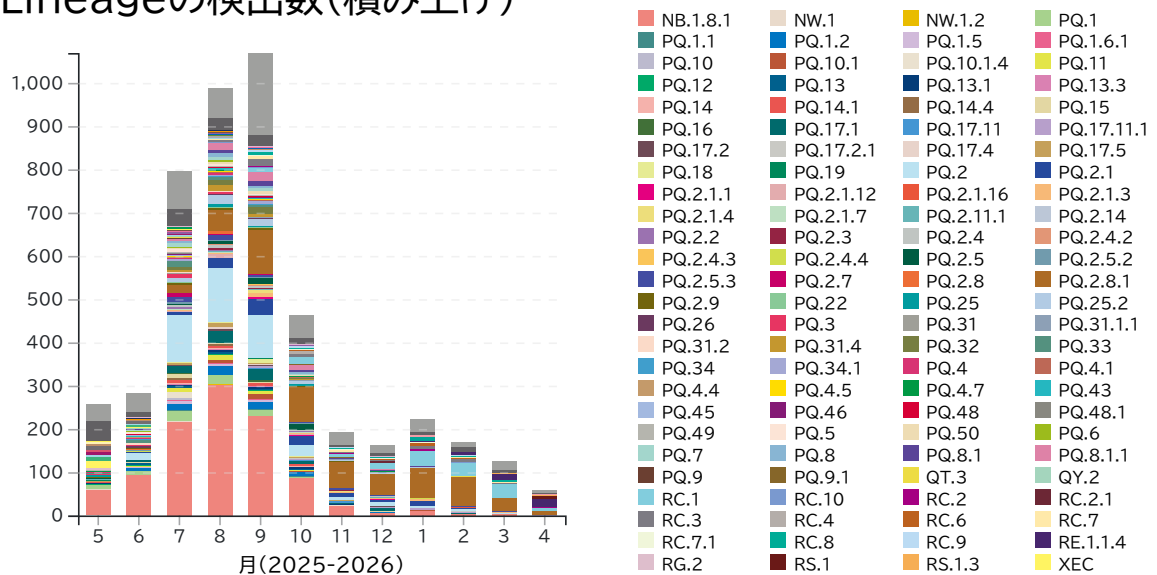


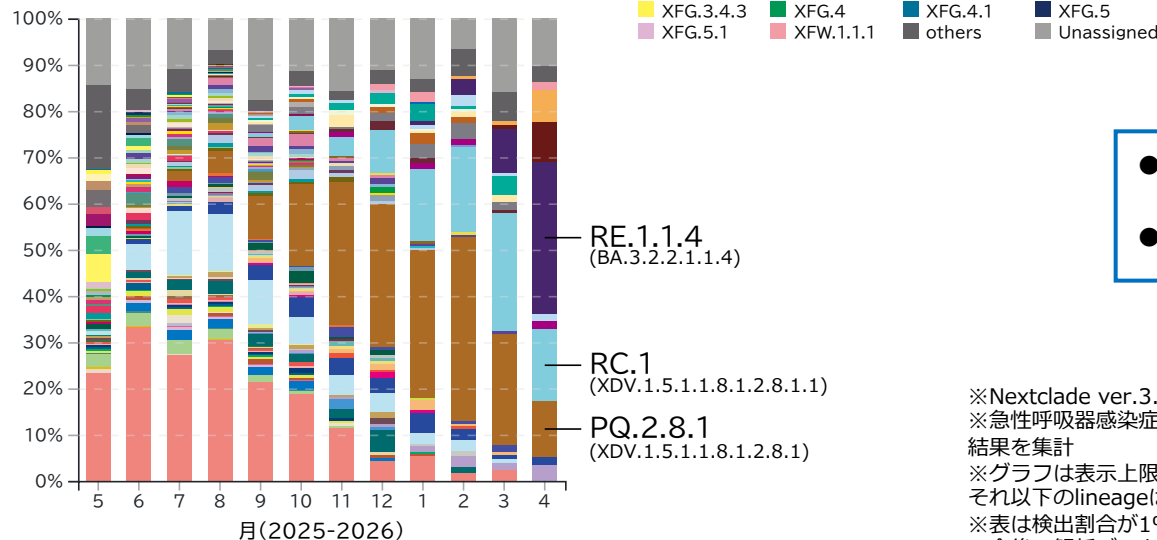
新型コロナウイルスゲノムのPANGO Lineage変遷（1月単位）（2026年5月20日現在）

Lineageの検出数(積み上げ)



Pango lineage (Nextclade 3.21.2)	検体数 (2026年4月)	割合
NB.1.8.1系統	23	39.66%
RC.1	9	15.52%
PQ.2.8.1	7	12.07%
PQ.31.3.1	2	3.45%
PQ.17.11.1	2	3.45%
RC.2	1	1.72%
RC.9	1	1.72%
PQ.2.1	1	1.72%
BA.3.2系統	28	48.28%
RE.1.1.4	19	32.76%
RS.1	5	8.62%
RS.1.3	4	6.90%
その他	7	12.07%
XFW.1.1.1	1	1.72%
Unassigned	6	10.34%
総計	58	100.00%

Lineageの割合



- NB.1.8.1系統の亜系統が減少を続けている
- BA.3.2系統の亜系統が増加を続けている

※Nextclade ver.3.21.2により解析
 ※急性呼吸器感染症サーベイランスの一環として、地方衛生研究所で解析されたゲノム解析結果を集計
 ※グラフは表示上限数により表示期間中の検出数で上位125番目までのlineage名を記載し、それ以下のlineageはothersとして記載
 ※表は検出割合が1%未満のlineageはOthersとして記載
 ※今後、解析データの追加登録が行われ、数値の変動があることに留意

全国のゲノムサーベイランスによる系統別検出状況（国立感染症研究所）

新型コロナウイルスゲノムのPANGO Lineage変遷（2026年2～4月）（2026年5月20日現在）

	検体数			割合		
	2月	3月	4月	2月	3月	4月
NB.1.8.1系統	148	87	23	87.57%	69.05%	39.66%
RC.1	31	32	9	18.34%	25.40%	15.52%
PQ.2.8.1	67	30	7	39.64%	23.81%	12.07%
PQ.17.11.1	4	2	2	2.37%	1.59%	3.45%
PQ.2.1	4	1	1	2.37%	0.79%	1.72%
RC.9	4	1	1	2.37%	0.79%	1.72%
RC.2	2	0	1	1.18%	0.00%	1.72%
NB.1.8.1	3	3	0	1.78%	2.38%	0.00%
RC.3	6	2	0	3.55%	1.59%	0.00%
RC.7	2	2	0	1.18%	1.59%	0.00%
Others	25	14	2	14.79%	11.11%	3.45%
BA.3.2系統	7	19	28	4.14%	15.08%	48.28%
RE.1.1.4	6	12	19	3.55%	9.52%	32.76%
RS.1	0	1	5	0.00%	0.79%	8.62%
RS.1.3	1	1	4	0.59%	0.79%	6.90%
Others	0	5	0	0.00%	3.97%	0.00%
XFG系統	2	0	0	1.18%	0.00%	0.00%
Others	2	0	0	1.18%	0.00%	0.00%
その他	12	20	7	7.10%	15.87%	12.07%
Others	1	0	1	0.59%	0.00%	1.72%
Unassigned	11	20	6	6.51%	15.87%	10.34%
総計	169	126	58	100%	100%	100%

※Nextclade ver.3.21.2により解析

※急性呼吸器感染症サーベイランスの一環として、地方衛生研究所で解析されたゲノム解析結果を集計

※表は①2026年2月～4月の間で2月以上で検出割合が1%以上のlineageと②4月に検出割合1%以上で2月以上で検出があったlineageを記載。

上記に該当しないlineageはOthersとして集計。

※今後、解析データの追加登録が行われ、数値の変動があることに留意